

กิตติกรรมประกาศ

คณะผู้วิจัยใคร่ขอขอบคุณ สำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร มหาวิทยาลัยแม่โจ้ ที่ให้ทุนอุดหนุนวิจัย ประจำปี 2556 ที่ได้เล็งเห็นถึงความจำเป็นและความสำคัญในการศึกษาในด้านการจำแนกลักษณะประจำพันธุ์และการปรับปรุงพันธุ์ลำไย การอนุมัติสนับสนุนทุนวิจัย ประจำปีงบประมาณ 2556 จึงเป็นสิ่งที่ทำให้นักวิจัยรู้สึกขอบคุณและมีกำลังใจในการทำงานด้านการจำแนกลักษณะและการปรับปรุงพันธุ์ลำไยมากขึ้น และหวังว่าเมื่อสิ้นสุดโครงการสามารถสร้างและคัดเลือกพันธุ์ลำไยพันธุ์ใหม่ ๆ ที่สามารถสร้างชื่อเสียงให้กับมหาวิทยาลัยต่อไป

เนื่องจากโครงการประกอบด้วยนักวิจัยผู้เชี่ยวชาญเฉพาะด้านที่มาจากหลายสาขาวิชา ได้แก่ สาขาไม้ผล (ผศ.ดร.ธีรนุช เจริญกิจ), สาขาเทคโนโลยีชีวภาพ (ผศ.ดร.แสงทอง พงษ์เจริญกิต และรศ.ดร.นพฉวี โทบุญญานนท์) และสำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร (นางจิรนันท์ เสนานาญ) ซึ่งแต่ละท่านได้ใช้ความสามารถและเชี่ยวชาญเฉพาะสาขาวิชา ดำเนินการวิจัยตามแผนที่กำหนดไว้ ทำให้ผลการวิจัยเป็นที่น่าพอใจยิ่ง จึงใคร่ขอขอบพระคุณในการร่วมมือในการวิจัยดังกล่าวไว้ ณ โอกาสนี้ด้วย

สุดท้ายนี้ขอขอบคุณผู้ช่วยนักวิจัยทุกท่านและนักศึกษาปริญญาโทที่เกี่ยวข้องทุกคน ที่เป็นกำลังสำคัญที่ทำให้ผลงานวิจัยออกมาได้ด้วยดี

ผู้ช่วยศาสตราจารย์ฉันทนา วัชรรัตน์
ผู้วิจัย

| | |
|-------------------------------|-----------------|
| สำนักหอสมุด มหาวิทยาลัยแม่โจ้ | |
| B : | เลขเรียกหนังสือ |
| I : | |
| วันที่ 3 ก.ย. 2557 | |

สารบัญ

| | หน้า |
|--|------|
| สารบัญตาราง | ข |
| สารบัญภาพ | ค |
| บทคัดย่อ | 1 |
| Abstract | 2 |
| คำนำ | 4 |
| วัตถุประสงค์ของการวิจัย | 5 |
| ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ | 5 |
| ทฤษฎี สมมุติฐาน และกรอบแนวคิดของโครงการวิจัย | 5 |
| การตรวจเอกสาร | 6 |
| อุปกรณ์และวิธีการ | 9 |
| ผลการวิจัย | 10 |
| วิจารณ์และสรุปผลการวิจัย | 49 |
| เอกสารอ้างอิง | 52 |
| ภาคผนวก | 55 |

สารบัญตาราง

| | | หน้า |
|-------------|--|------|
| ตารางที่ 1 | จำนวนพันธุ์ลำไย และแหล่งรวบรวมในพื้นที่ของมหาวิทยาลัยแม่โจ้ ปี 2556 | 12 |
| ตารางที่ 2 | ข้อมูลที่รวบรวมแล้วเสร็จและสัดส่วนที่รวบรวมได้ในปี 2556 | 20 |
| ตารางที่ 3 | ลำดับชื่อพันธุ์และจำนวนสายต้นลำไยพันธุ์ที่เคยได้รับรางวัลในการประกวดที่รวบรวมไว้ในในแปลงเกษตรกร รวม 169 สายต้น | 22 |
| ตารางที่ 4 | ผลของการต่อกิ่งอายุต้นกล้าต่างๆกันบนต้นลำไยต้นใหญ่พันธุ์อีดอ | 42 |
| ตารางที่ 5 | ผลของการให้สารโพแทสเซียมคลอไรด์ อายุต้นกล้าต่างๆ กันบนต้นลำไยต้นใหญ่พันธุ์อีดอ | 42 |
| ตารางที่ 6 | ผลของการเปลี่ยนขocerยะเขาวัววัย และยอดที่ผ่านระยะเขาวัววัย ต่อการเสียบติด การผลิใบ และขนาดยอดใหม่ | 43 |
| ตารางที่ 7 | ผลของการเปลี่ยนขocerยะเขาวัววัย และยอดที่ให้ผลผลิตแล้ว ต่อการออกดอก | 44 |
| ตารางที่ 8 | การออกดอกของลำไยต้นกล้าอายุต่างๆ ที่ชักนำการออกดอกด้วยสารโพแทสเซียมคลอไรด์ | 45 |
| ตารางที่ 9 | ผลของการให้สารพาโคบิวทราโซลร่วมกับสารโพแทสเซียมคลอไรด์ กับต้นกล้าลำไยที่มีผลต่อการออกดอก | 46 |
| ตารางที่ 10 | ผลของการตัดปลายยอดต่อความสูงความกว้างทรงพุ่ม ในระยะก่อนตัดยอด และระยะใบแก่ชุดที่ 1 ของต้นกล้าลำไย | 47 |
| ตารางที่ 11 | ผลของการตัดปลายยอดต่อจำนวนใบประกอบ จำนวนยอดต่อต้น และเส้นผ่าศูนย์กลางลำต้น ในระยะก่อนตัดยอด ของต้นกล้าลำไย | 47 |

สารบัญภาพ

| | | หน้า |
|-----------|--|------|
| ภาพที่ 1 | แผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์หน้าอาคารปฏิบัติการ ไม้ผล 25 ปี | 13 |
| ภาพที่ 2 | แผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์ในท่อ หน้าอาคารปฏิบัติการ ไม้ผล 25 ปี | 14 |
| ภาพที่ 3 | แผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยในพื้นที่ 216 ไร่ของสำนักวิจัยและส่งเสริม วิชาการการเกษตร (แปลงต้นเล็ก) | 15 |
| ภาพที่ 4 | แผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยในพื้นที่ 216 ไร่ของสำนักวิจัยและส่งเสริม วิชาการการเกษตร (แปลงต้นใหญ่) | 16 |
| ภาพที่ 5 | แผนผังแปลงรวบรวมพ่อแม่พันธุ์และลูกผสมลำไยที่ได้ ในที่อริมถนนทางเข้า แปลงชาน้ำมัน | 17 |
| ภาพที่ 6 | ตัวอย่างลักษณะประจำพันธุ์ ที่แสดงข้อมูลพร้อมภาพประกอบ ของลำไยพันธุ์ คอค 20 (ข้อมูลที่เก็บยังไม่สมบูรณ์เรียบร้อยทุกลักษณะ ยังต้องตามเก็บข้อมูลอยู่) | 24 |
| ภาพที่ 7 | การเตรียมช่อดอกควัเมีย (a) การเคঁคช่อดอกควัเมียทั้ง (b) ช่อดอกควัเมียที่เตรียมไว้ สำหรับการผสมพันธุ์ | 25 |
| ภาพที่ 8 | การผสมพันธุ์ลำไย (a) เกสรตัวผู้ที่ใช้ในการผสมพันธุ์ (b) การนำละอองเกสร ตัวผู้มาแตะบนยอดเกสรตัวเมียโดยใช้พู่กัน | 26 |
| ภาพที่ 9 | ลำไยลูกผสมที่นำมาเพาะ | 26 |
| ภาพที่ 10 | การล้อมละอองเกสรตัวผู้ | 27 |
| ภาพที่ 11 | ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของ (a) ไพรเมอร์ A07 (ช่อง 1-4), A13 (ช่อง 5- 8), A18 (ช่อง 9-12) และ B01 (ช่อง 13-16) ของกลุ่มผสมพันธุ์ (กรอบกะทิ x คอค ก้านแข็ง) โดยที่ ช่อง M คือ 1kb Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่องที่ 1, 5, 9 และ 13 คือ กรอบกะทิ ช่องที่ 2, 6, 10 และ 14 คือ คอคก้านแข็ง ช่องที่ 3, 7, 11 และ 15 คือ (กรอบกะทิ x คอคก้านแข็ง) F ₁ -1 ช่องที่ 4, 8, 12 และ 16 คือ (กรอบกะทิ x คอคก้านแข็ง) F ₁ -2(b) ไพรเมอร์ B10 (ช่อง 1-4), B11 (ช่อง 5-8), B17 (ช่อง 9-12) และ B18 (ช่อง 13-16) ของกลุ่มผสม พันธุ์ (กรอบกะทิ x คอคก้านแข็ง) โดยที่ ช่อง M คือ 1kb Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่องที่ 1, 5, 9 และ 13 คือ กรอบกะทิ ช่องที่ 2, 6, 10 และ 14 คือ คอคก้านแข็ง ช่องที่ 3, 7, 11 และ 15 คือ (กรอบกะทิ x คอคก้านแข็ง) F ₁ -1 ช่องที่ 4, 8, 12 และ 16 คือ (กรอบกะทิ x คอคก้านแข็ง) F ₁ -2 | 28 |

สารบัญภาพ (ต่อ)

หน้า

- ภาพที่ 12 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ A12 (ช่อง 1-3), A14 (ช่อง 4-6), 29
A15 (ช่อง 7-9), A18 (ช่อง 10-12) และ A19 (ช่อง 13-15) ของคู่ผสมพันธุ์ (เบ็ชว
เขียวเชียงใหม่ x คอก้านแข็ง) โดยที่ ช่อง M คือ 100 bp DNA Ladder H3 RTU
(GeneDirex) ช่องที่ 1, 4, 7, 10 และ 13 คือเบ็ชวเขียวเชียงใหม่ ช่องที่ 2, 5, 8, 11
และ 14 คือคอก้านแข็ง ช่องที่ 3, 6, 9, 12 และ 15 คือ (เบ็ชวเขียวเชียงใหม่ x คอ
ก้านแข็ง) F₁-3
- ภาพที่ 13 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ A07 (ช่อง 1-5), N04 (ช่อง 6-10) 30
และ I14 (ช่อง 11-5) ของคู่ผสมของพันธุ์ (คอก 27x สีชมพู) โดยที่ช่อง M คือ
GeneRuler™ 100 bp Plus DNA Ladder (Fermentus) ช่องที่ 1,6 และ 11 คือ คอก 27
ช่องที่ 2, 7 และ 12 คือ สีชมพู ช่องที่ 3, 8 และ 13 คือ (คอก 27xสีชมพู)F₁-1 ช่องที่
4, 9 และ 14 คือ (คอก 27 x สีชมพู) F₁-3 ช่องที่ 5, 10 และ 15 คือ (คอก 27 x สีชมพู)
F₁-4 ตามลำดับ
- ภาพที่ 14 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ N08 โดยที่ ช่อง M คือ 31
GeneRuler™ 100 bp Plus DNA Ladder (Fermentus) ช่องที่ 1-13 คือ
พันธุ์สีชมพู คอก้านแข็ง (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F₁-1, (สีชมพู-7 x คอก้าน
แข็ง-8) F₁-2, (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F₁-4, (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F₁-5
(สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F₁-6, (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F₁-7 (สีชมพู-7 x
คอก้านแข็ง-8) F₁-8, คอก้านแข็ง-8, สีชมพู-8 (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-1 และ
(คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-3 ตามลำดับ
- ภาพที่ 15 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ N08 โดยที่ ช่อง M คือ 32
GeneRuler™ 100 bp Plus DNA Ladder (Fermentus) ช่องที่ 1-4 คือ
คอก้านแข็ง-8, สีชมพู-8, (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-4 และ (คอก้านแข็ง-7
x สีชมพู-12) F₁-5 ตามลำดับ

สารบัญภาพ (ต่อ)

| | หน้า | |
|-----------|---|----|
| ภาพที่ 16 | ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ N04 โดยที่ ช่อง M คือ GeneRuler™ 100 bp Plus DNA Ladder (Fermentus) ช่องที่ 1-8 คือ คอก้านแข็ง-8, สีชมพู-8 (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F ₁ -1, (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F ₁ -3, คอก้านแข็ง-8, สีชมพู-8, (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F ₁ -4 และ (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F ₁ -5 ตามลำดับ | 32 |
| ภาพที่ 17 | ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ L2_2 โดยที่ ช่อง M คือ 100 bp Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่องที่ 1-7 คือ เบี้ยวเขียวเชียงใหม่ คอก้านแข็ง ลูกผสม (เบี้ยวเขียวเชียงใหม่ x คอก้านแข็ง) F ₁ -3 กรอบกะทิ คอก้านแข็ง ลูกผสม (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F ₁ -1 และ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F ₁ -2 ตามลำดับ | 33 |
| ภาพที่ 18 | ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ L2_2 โดยที่ ช่อง M คือ 100 bp Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่อง 1 และ 2 คือ คอ 27 (ต้นแม่) และสีชมพู (ต้นพ่อ) ส่วนช่อง 3-5 คือ (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -1 (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -4 ตามลำดับ | 34 |
| ภาพที่ 19 | ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ L7_1 (a) ไพรเมอร์ L8_1 (b) โดยที่ ช่อง M คือ 100 bp Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่อง 1 และ 2 คือ คอ 27 (ต้นแม่) และสีชมพู (ต้นพ่อ) ส่วนช่อง 3-5 คือ (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -1 (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -4 ตามลำดับ | 35 |
| ภาพที่ 20 | ลำไยลูกผสม (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F ₁ -1 (a) และ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F ₁ -2 (b) ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล | 36 |
| ภาพที่ 21 | ลำไยลูกผสม (เบี้ยวเขียวเชียงใหม่ x คอก้าน-แข็ง) F ₁ -3 ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมาย โมเลกุล | 36 |
| ภาพที่ 22 | ลำไยลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -1 (a), (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -3 (b) และ (คอ 27 x สีชมพู) F ₁ -4 (c) ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล | 37 |

สารบัญภาพ (ต่อ)

| | หน้า | |
|-----------|---|----|
| ภาพที่ 23 | ลำไยลูกผสม (สีชมพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8) F ₁ -4 ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล | 37 |
| ภาพที่ 24 | ลำไยลูกผสม (ดอกก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F ₁ -1 (a) และ (ดอกก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F ₁ -5 (b) ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล | 38 |
| ภาพที่ 25 | ระยะใบดกต้นกล้าลูกผสม | 41 |
| ภาพที่ 26 | การเปลี่ยนยอดลำไยลูกผสม | 41 |
| ภาพที่ 27 | นำเข้าถุงอบประมาณ 45 วัน | 41 |
| ภาพที่ 28 | การต่อกิ่งยอดลำไยระยะเขาวัววัยและ ยอดที่ผ่านระยะเขาวัววัยแล้ว | 44 |
| ภาพที่ 29 | การออกดอกของต้นลำไยที่เพาะเมล็ด อายุต้นประมาณ 3 ปี | 45 |
| ภาพที่ 30 | การตัดปลายยอดของต้นลำไย (ซ้าย) และหลังตัดประมาณ 1 เดือนลำไยแตกกิ่ง ด้านข้าง (ขวา) | 48 |

การจำแนกลักษณะประจำพันธุ์และการปรับปรุงพันธุ์ลำไย
Classification of Longan Germplasm and Breeding Program

ฉันทนา วิชรรัตน์¹ นงนุช กุศล³ ชีรนุช เจริญกิจ¹ แสงทอง พงษ์เจริญกิจ²
จิรพันธ์ เสนานาญ³ พาวิน มะโนชัย¹ และนพมานี โทปบุญานนท์²
Chantana Wicharatana,¹ Nongnuch Kuson,³ Theeranuch Jaroenkit,¹
Saengtong Pongjaroenkit,² Chiranan Senanan,³ Pawin Manochai,¹
and Nopmanee Topoonyanont²

¹คณะผลิตกรรมการเกษตร มหาวิทยาลัยแม่โจ้ เชียงใหม่ 50290

²คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยแม่โจ้ จ.เชียงใหม่ 50290

³สำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร มหาวิทยาลัยแม่โจ้ จ.เชียงใหม่ 50290

บทคัดย่อ

โครงการวิจัยเรื่อง การจำแนกลักษณะประจำพันธุ์และการปรับปรุงพันธุ์ลำไย โดยวิธีการผสมข้ามในปีที่ 2 นี้ ประกอบด้วยกิจกรรม 3 กิจกรรม ได้แก่ 1) การสร้างและดูแลแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยพร้อมทั้งศึกษาลักษณะประจำพันธุ์ลำไย 2) การสร้างลูกผสมลำไยจากการผสมข้ามและการตรวจสอบลูกผสมที่ได้โดยใช้เครื่องหมายโมเลกุล และ 3) วิธีการย่นระยะการทดสอบลูกผสม โดยผลการศึกษาทดลองทั้ง 3 กิจกรรมได้ผลเป็นที่น่าพอใจดังนี้

แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยมีทั้งหมด 5 พื้นที่ (เพิ่มขึ้นจากปี 2555 จำนวน 3 แปลง) รวมพันธุ์ลำไยที่รวบรวมไว้ 32 สายพันธุ์ แต่ยังคงมีการรวบรวมข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์ไม่ครบถ้วนสมบูรณ์ เนื่องจากลำไยมีการปลูกไม่พร้อมกัน พัฒนาการระยะต่างๆ แตกต่างกัน และบางสายพันธุ์เพิ่งเริ่มปลูก ยังไม่มีการออกดอกติดผล การเก็บข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์จึงยังต้องดำเนินต่อไป แต่การออกแบบหนังสือพันธุ์ลำไยได้เริ่มดำเนินการแล้ว โดยจะคัดเลือกสายพันธุ์ที่มีความจำเป็นและสำคัญทางเศรษฐกิจและมีข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์ครบถ้วนมาดำเนินการต่อไป

การสร้างคู่ผสมลำไย จากต้นพ่อแม่พันธุ์ที่คัดเลือกมากจากแปลงรวบรวมพันธุ์ พบว่าในปี 2556 มีการผสมเพิ่มอีกจำนวน 5 คู่ผสม ได้เมล็ดที่เป็นลูกผสมจำนวน 16 เมล็ด นำเมล็ดลูกผสมที่ได้ ไปทำการเพาะ และนำไปใส่ถาดดิเอ็นเอ เพื่อตรวจสอบความถูกต้องว่าเป็นลูกผสม

จริงโดย ใช้เทคนิค RAPD (random amplified polymorphic DNA) มาช่วยในการบ่งชี้ความแตกต่างระหว่างพันธุ์ลำไย จากนั้นนำแถบดีเอ็นเอที่แตกต่างจากเทคนิค RAPD มาพัฒนาต่อเป็นเครื่องหมาย SCAR (sequence characterized amplified region) ซึ่งเครื่องหมายโมเลกุลชนิด RAPD และ SCAR ที่ได้สามารถใช้คัดเลือกลำไยลูกผสมจากกลุ่มผสม 5 คู่ ได้แก่ กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง, เบี้ยวเขียว เชียงใหม่ x คอก้านแข็ง, คอ 27 x สีชมพู, สีชมพู x คอก้านแข็ง และคอก้านแข็ง x สีชมพู จำนวน 9 ต้น ซึ่งลูกผสมที่คัดเลือกได้เหล่านี้จะใช้ในการศึกษาลักษณะทางกายภาพ (ฟีโนไทป์) ต่อไป

วิธีการย่นระยะเวลาการทดสอบลูกผสม แม้จะยังไม่สามารถหาวิธีที่ชัดเจนได้ในปัจจุบัน แต่ผลการศึกษาในเบื้องต้นพบว่า การตัดยอดต้นกลลำไยออกโดยตัดต่ำลงมาประมาณ 15 เซนติเมตร จะช่วยกระตุ้นการแตกตาข้าง และสร้างยอดใหม่ได้มากขึ้น ซึ่งอาจจะเป็นวิธีการหนึ่งที่สามารถเร่งระยะยาววัยของต้นลำไยได้ นอกจากนี้ยังพบว่า ต้นกลลำไยอายุ 3 ปีที่เพาะจากเมล็ดที่สมบูรณ์และใหญ่กว่าเพื่อน เมื่อได้รับสภาพอากาศที่หนาวเย็นเพียงพอ (ปลายปี 2556) จะสามารถแทงช่อดอกได้ในขณะที่ต้นอื่นๆ (มีขนาดเล็กกว่า) ไม่สามารถแทงช่อดอกได้ ดังนั้นความอุดมสมบูรณ์ของต้นจึงเป็นปัจจัยหนึ่งที่จะช่วงเร่งระยะยาววัยของต้นลำไย

คำสำคัญ: แหล่งพันธุกรรมลำไย การผสมข้ามลำไย การตรวจสอบลูกผสมโดยใช้เครื่องหมายโมเลกุล ระยะยาววัย

Abstract

Project on longan cross breeding program and classification for year 2013 (second year of the research plan) comprised of 3 activities. There were: 1) preparing the germplasm and data collection on variety characteristics 2) cross longan and method to identified the hybrid and 3) testing methods to reduce juvenile stage of longan seedling. The results from all study activities were very impressive.

For germplasm, there were 5 planting areas (3 planting areas more compared to last year study) located in Maejo University. The varieties collected are 32 varieties. Not all plant characteristic had been collected due to different in developmental stage of the tree. Some varieties were planted in this year and had not yet been flowering or bearing any fruits. However, the outline for content in the variety book and design for printing was going by selected the major varieties that quite importance and make significant to longan market.

For breeding program by crossing, there were 5 hybridization crossed in year 2013 which generated 16 hybrid seeds for testing. The hybrid seeds were planted for germination, the DNA was extracted from leaf that harvested from 4 months old seedling. Molecular markers could be developed to select F_1 hybrid. In the study, random amplified polymorphic DNA (RAPD) technique was used to study the genetic relationship. After that, the unique bands purified and sequenced for conversion to the sequence characterized amplified region (SCAR) markers. The selected RAPD primer and developed SCAR markers were used to screen 9 F_1 -hybrids from 5 hybridization crossed between different longan cultivars, Krobkati x Dor-Kaankhaeng , Biaokhiao-Chiangmai x Dor- Kaankhaeng, Dor 27 x Si-Chomphu, Si-Chomphu x Dor-Kaankhaeng and Dor-Kaankhaeng x Si-Chomphu. These 9 F_1 hybrid will be further use in phenotyping study

For methods to test hybrid seedling, there were not yet had effective methods to induce seedling to flowering . However, the pitching top of the longan seedling 15 centimeters lower from the top could induce new more branch breaking. This method might help to reduce juvenile stage of longan if rate of bud breeding increase can induce more mature seedling. Beside that finding, the healthy 3 years old seedling once received enough low temperature (end of year 2013) it can flowering whereas, other tree which were small and not healthy, were not flower. This guided that plant fertilization might play a significant rule in reduce juvenile stage of longan

Key words: longan germplasm, cross breeding, DNA markers, juvenile stage

การจำแนกลักษณะประจำพันธุ์และการปรับปรุงพันธุ์ลำไย

นักวิจัยผู้รับผิดชอบ

| | |
|------------------------------------|---|
| หัวหน้าโครงการ นางฉันทนา วิชรรัตน์ | ภาควิชาพืชสวนคณะผลิตกรรมการเกษตร (30%) |
| ผู้ร่วมวิจัย | สำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร (15 %) |
| 1. นางนงนุช กุศล | คณะผลิตกรรมการเกษตร (20 %) |
| 2. นางธีรนุช เจริญกิจ | คณะวิทยาศาสตร์ (15%) |
| 3. น.ส.แสงทอง พงษ์เจริญกิต | สำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร (15%) |
| 4. นางจิรนันท์ เสนานาญ | คณะผลิตกรรมการเกษตร (2.5%) |
| 5. นายพาวิณ มะโนชัย | คณะวิทยาศาสตร์ (2.5%) |
| 6. นางนพมณี โทปญญานนท์ | |

คำนำ

ลำไยเป็นพืชเศรษฐกิจหลักของประเทศ แต่เดิมการปลูกลำไยจำกัดอยู่ในพื้นที่ที่มีอากาศหนาวเย็น เช่น ภาคเหนือตอนบน มีพื้นที่ปลูกต่ำกว่าแสนไร่ ในปี 2526 (กรมส่งเสริมการเกษตร, 2551) แต่หลังจากค้นพบสาร โพรแทสเซียมคลอไรด์เพื่อชักนำให้ลำไยออกดอกได้โดยไม่ต้องพึ่งความหนาวเย็นของอากาศ พื้นที่การปลูกลำไยจึงขยายตัวไปทั่วประเทศ โดยปัจจุบันมีพื้นที่ปลูกรวมทั่วประเทศกว่า 1 ล้านไร่ (กรมส่งเสริมการเกษตร, 2552) และมีการส่งออกทำรายได้เข้าสู่ประเทศมูลค่ากว่า สามพันล้านบาทต่อปี

อย่างไรก็ตามจะเห็นได้ว่าพันธุ์ของลำไยของประเทศไทยนั้น ยังคงมีพันธุ์ดั้งเดิมเช่น พันธุ์คอ เบี้ยวเขียว สีชมพู แห้ว หรือพวงทอง ซึ่งจะเห็นได้ว่าแต่ละพันธุ์จะมีจุดเด่น จุดด้อย อาทิ พันธุ์อีคอ เป็นพันธุ์ที่ออกดอกเร็ว การติดผลดี แต่รสชาติของเนื้อจะสู้พันธุ์เบี้ยวเขียว พันธุ์สีชมพู ไม่ได้ และนอกจากนั้นยังพบว่าพันธุ์อีคอ ซึ่งเป็นพันธุ์เศรษฐกิจของไยไทยนั้น ยังมีความแตกต่างกันด้วย ผลผลิต และคุณภาพของผล ซึ่งเป็นเรื่องที่มีความน่าสนใจในการที่จะคัดเลือกเฉพาะสายพันธุ์อีคอ ที่มีศักยภาพมาทำการทดสอบศักยภาพด้านต่างๆ เพื่อเป็นสายพันธุ์อีคอพันธุ์ตัดที่มีคุณภาพเหมาะสมต่อธุรกิจลำไยต่อไป

การปลูกลำไยในประเทศไทยปัจจุบันมีลักษณะเป็นการปลูกพืชเชิงเดี่ยว กล่าวคือ จากพื้นที่ปลูกรวมทั้งประเทศที่มีประมาณ 1 ล้านไร่ (กรมส่งเสริมการเกษตร, 2553) พบว่า ประมาณ 95% ของพื้นที่ปลูกเป็นการปลูกลำไยพันธุ์คอ ทำให้การพัฒนาสายพันธุ์เกิดขึ้นได้ยาก ดังนั้นการรวบรวมเชื้อพันธุ์ลำไยไว้ด้วยกัน รวมถึงการจำแนกความซ้ำซ้อนของสายพันธุ์ และการศึกษา

ลักษณะการแสดงออกของเพศดอกลำไย จะเป็นข้อมูลพื้นฐานที่สำหรับการปรับปรุงพันธุ์ลำไยในอนาคต

วัตถุประสงค์ของการวิจัย (ปีที่ 2)

1. เพื่อรวบรวม อนุรักษ์และจำแนกสายพันธุ์ลำไย เพื่อใช้เป็นแหล่งพันธุกรรมในการพัฒนาพันธุ์ลำไยของไทย
2. เพื่อสร้างลูกผสม จากกลุ่มสมที่มีการคัดเลือกแล้ว และดำเนินการทดสอบความเป็นลูกผสม ของเมล็ดลูกผสมที่ได้ โดยใช้วิธีทางชีวโมเลกุล
3. ทดสอบวิธีการย่นระยะเวลาการชักนำให้ลำไยออกดอก และการคัดเลือก โดยวิธีการต่างๆ

ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ

- 1) มีแหล่งรวบรวมและอนุรักษ์พันธุ์ลำไย เพื่อใช้ในการพัฒนาพันธุ์ในอนาคต สร้างความมั่นคงทางพันธุกรรมของลำไยของประเทศไทยได้
- 2) สามารถผสมข้ามสายพันธุ์ลำไยได้สำเร็จ และเกิดพันธุ์ลำไยใหม่ขึ้น
- 3) ได้วิธีเหมาะสมสำหรับการย่นระยะเวลาเยาววัยของลำไย เพื่อทดสอบลูกผสม
- 4) สามารถเผยแพร่ข้อมูลเพื่อนำไปใช้ประโยชน์ต่อนักวิชาการเกษตรและผู้ที่เกี่ยวข้องได้

ทฤษฎี สมมุติฐาน (ถ้ามี) และกรอบแนวความคิดของโครงการวิจัย

สมมุติฐาน ลำไยสายพันธุ์เดียวกัน เช่น อีค้อ อาจจะมีพันธุกรรมที่ต่างกันทำให้มีความแตกต่างด้านผลผลิตและคุณภาพ ดังนั้นการคัดเลือก “สายรายต้น (Clone) จึงมีความจำเป็น และสามารถนำมาพัฒนาเป็นพันธุ์ใหม่ได้

- การแสดงการติดผลของลำไยมีทั้งดอกตัวผู้ ดอกตัวเมีย ดอกกระเทย ภายในช่อดอกเดียวกัน คาดว่าอัตราส่วนระหว่างเพศดอกต่างๆ และรูปแบบการออกดอก จะแตกต่างกันไป ในแต่ละพันธุ์ ซึ่งจะมีผลต่อการติดผล (ความดก) ของลำไย

- การที่มีเพศดอกหลายแบบอยู่บนช่อดอกเดียวกัน ผนวกกับดอกลำไยมีขนาดเล็ก และการบานของดอกบนช่อดอกไม่มีความแน่นอน ดังนั้นการจะผสมข้ามพันธุ์ลำไยจะต้องศึกษาเรื่องโครงสร้างของดอก พฤติกรรมการบานของดอก การแยกประเภทของเพศดอกในช่อดอกในระยะดอกตูม ตำแหน่งที่ตัวของเพศดอกภายในช่อดอก ซึ่งจะมีผลต่อความสำเร็จของการผสมข้ามพันธุ์ลำไย

- การปรับปรุงพันธุ์ลำไยอาจทำได้หลายวิธี เช่น การคัดเลือกจากต้น (clone) ที่ดีจากพันธุ์เดิม การใช้วิธีก่อให้เกิดการกลายพันธุ์ (mutation) เป็นการใช้รังสีแกมมา รังสีเอ็กซ์ เป็นต้น แต่วิธีการ mutation เป็นวิธีการซึ่งไม่เหมาะสม เนื่องจากโอกาสเกิดลักษณะที่ดีโดยสุ่มเป็นไปได้ยาก อีกทั้งลำไย เป็นพืชยืนต้น การทดสอบจึงทำได้ยาก และใช้เวลานาน เนื่องจากไม่สามารถคาดการณ์ได้จากลักษณะที่เกิดขึ้นจะเป็นอย่างไร ในขณะที่วิธีการผสมข้ามโดยวิธีการปกติสามารถดึงวัตถุประสงค์และคัดเลือกสายพันธุ์พ่อแม่ซึ่งมีลักษณะที่ต้องการได้ล่วงหน้า ซึ่งทำให้สามารถคาดคะเนลูกที่จะเกิดขึ้นได้ แต่อย่างไรก็ตามจะต้องมีวิธีการผสมข้ามที่มีประสิทธิภาพด้วย

การตรวจเอกสาร

การปลูกลำไยในประเทศไทยปัจจุบันพบว่า 95 เปอร์เซ็นต์ของการปลูกลำไยเป็นการปลูกลำไยพันธุ์คอ หรืออีคอ เพียงพันธุ์เดียว ทำให้มีพื้นที่ปลูกพันธุ์อื่นๆ ซึ่งเป็นลำไยที่มีคุณภาพเหมาะสมสำหรับรับประทานสด เช่น เบี้ยวเขียว แห้ว หรือสีชมพู ลดน้อยลงมาก (ไม่ถึง 5% ของพื้นที่ปลูกปัจจุบัน, กระทรวงเกษตรและสหกรณ์, 2553) ทำให้การผลิตลำไยในปัจจุบันของไทย คล้ายกับการผลิตพืชเชิงเดี่ยว มีความหลากหลายทางพันธุกรรมที่น้อย หากลำไยพันธุ์คอประสบกับปัญหาในอนาคต การแก้ไขปัญหาก็เพื่อช่วยเหลือเกษตรกรผู้ผลิตจะไม่ทันการ เนื่องจากการพัฒนาหรือปรับปรุงพันธุ์ไม่ผลโดยทั่วไปจะใช้เวลาไม่ต่ำกว่า 10 ปี

การปรับปรุงพันธุ์ลำไย จะต้องเริ่มต้นจากการรวบรวมพันธุ์พืชเป็นแหล่งพันธุกรรม (germplasm) ซึ่งจากการตรวจเอกสารพบว่า การรวบรวมพันธุ์ลำไยได้เคยดำเนินการจัดทำมาแล้ว โดยสำนักงานคุ้มครองพันธุ์พืชแห่งชาติ (กรมวิชาการเกษตร, 2546) ซึ่งได้รายงานชื่อพันธุ์ลำไยไว้ 68 หมายเลข (accession number) ซึ่งรายชื่อพันธุ์ลำไยภายในฐานเชื้อพันธุ์พืชดังกล่าว เชื่อว่ามีรายชื่อไม่ต่ำกว่า 10% ที่เป็นชื่อพันธุ์ซ้ำกัน เช่น พันธุ์คอ กับ อีคอ, พันธุ์แห้ว กับ อีแห้ว หรือพันธุ์นราภิรมย์ กับพันธุ์เพชรสาคร เป็นต้น (ทาวิน (ติดต่อส่วนตัว), 2553) ซึ่งบางท้องถิ่นอาจจะเรียกพันธุ์เดียวกันด้วยชื่อที่ไม่เหมือนกันได้

ความผิดพลาดครั้งนี้สืบเนื่องจากการเก็บตัวพันธุ์พืช โดยยังไม่มีกำแนกความซ้ำซ้อนของสายพันธุ์ หรือยังไม่มีการจัดทำลายพิมพ์ดีเอ็นเอของสายพันธุ์ ทำให้กำแนกความซ้ำซ้อนของสายพันธุ์ไม่ได้ นอกจากนี้แล้วในฐานะเชื้อพันธุ์ดังกล่าว มีการรายงานข้อมูลรายละเอียดประจำพันธุ์เพียง 29 สายพันธุ์ (จาก 68 หมายเลข) ซึ่งเป็นข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์ (characterization) เป็นหลัก อย่างไรก็ตามในการปรับปรุงพันธุ์พืช ยังต้องการข้อมูลปลีกย่อยที่เกี่ยวข้องกับการแสดงเพศดอกเพื่อใช้ประโยชน์ในการผสมพันธุ์พืชอีกจำนวนมากเช่น ลักษณะการออกดอก เพศดอก สัดส่วนเพศดอก ระยะเวลาการบานของช่อดอก หรือความมีชีวิตของละอองเรณู เป็นต้น ทำให้ยังไม่สามารถใช้ประโยชน์จากฐานเชื้อพันธุ์พืชดังกล่าวในการปรับปรุงพันธุ์ได้

นอกจากสำนักงานคุ้มครองพันธุ์พืชแห่งชาติแล้ว ศูนย์วิจัยพืชสวนเชียงรายเองก็ได้จัดทำเอกสารวิชาการพันธุ์ลำไยออกเผยแพร่ (นิพนธ์, 2550) ด้วย โดยมีการรายงานลักษณะการแสดงออกของเพศดอก และสัดส่วนเพศดอกไว้ละเอียดพอควร แต่พบว่ารายงานไว้เพียง 11 สายพันธุ์เท่านั้น และยังไม่มีการจัดทำลายพิมพ์ดีเอ็นเอเพื่อตรวจสอบความซ้ำซ้อนของสายพันธุ์ เช่นเดียวกันกับฐานเชื้อพันธุ์พืชที่จัดทำโดยสำนักงานคุ้มครองพันธุ์พืชแห่งชาติ

การกำแนกกลุ่มพันธุ์หรือสายพันธุ์ลำไยในระดับยีนส์ ส่วนใหญ่จะใช้วิธี RAPD, ISSR, และ AFLP (Pan *et al.*, 2010). การกำแนกกลุ่มพันธุ์ลำไยของจีนที่ใช้วิธี RAPD สามารถกำแนกลำไย 31 สายพันธุ์ออกเป็น 6 กลุ่มใหญ่ได้ (Lin, 1998; Lin *et al.*, 1998 cited by Pan *et al.*, 2010). ซึ่งการกำแนกโดยใช้ลักษณะการแสดงออกของดีเอ็นเอหรือยีนส์ดังกล่าว ทำให้สามารถยืนยันความเป็นสายพันธุ์เดียวกันของลำไยที่เรียกชื่อต่างๆ กันได้ (Chen *et al.*, 2001 cited by Pan *et al.*, 2010)

ดังนั้นการจัดกำแนกกลุ่มพันธุ์ที่รวบรวม โดยการทำลายพิมพ์ดีเอ็นเอ กับพันธุ์ลำไยของไทยจึงน่าจะเป็นวิธีที่ดีที่สุดที่จะทำให้สามารถยืนยันความเป็นพันธุ์เดียวกันหรือต่างกันได้

การรวบรวมสายพันธุ์และการปรับปรุงพันธุ์ลำไยของจีน ซึ่งเป็นประเทศที่มีพื้นที่การปลูกลำไยมากที่สุดในโลก มีรายงานว่าฐานข้อมูลเชื้อพันธุ์ลำไยไม่ต่ำกว่า 234 สายพันธุ์ รวมถึงพันธุ์ป่า พันธุ์ไร่เมล็ดหรือเมล็ดกลีบ พันธุ์เนื้อสีชมพู และพันธุ์ทหนาว เป็นต้น (Pan *et al.*, 2010)

จีนมีระบบการศึกษาและพัฒนาสายพันธุ์ที่ทันสมัย เช่น การศึกษาถึงแหล่งกำเนิดและวิวัฒนาการของสายพันธุ์ โดยใช้ลักษณะประจำพันธุ์เป็นหลัก (morphological characteristics) ศึกษาถึงลักษณะบ่งชี้ทางชีวเคมี (biochemical markers) หรือลักษณะบ่งชี้ทางโมเลกุล (molecular markers) ของแหล่งเชื้อพันธุ์ลำไย การผสมพันธุ์ลำไยเพื่อให้ได้พันธุ์ใหม่ที่ผลผลิตสูงและต้านทานความหนาวเย็นได้ดียิ่งขึ้น เป็นต้น นอกจากนี้ระบบฐานข้อมูลเชื้อพันธุ์ลำไยของจีน ยังรวมไปถึงการแลกเปลี่ยนสายพันธุ์กับต่างประเทศ โดยเฉพาะจากประเทศไทยด้วย โดยพบว่า มีการนำเข้าสาย

พันธุ์ลำไยของไทยตั้งแต่ปี พ.ศ. 2523 (ค.ศ. 1980) จากหลายช่องทาง ได้แก่ Fruit Research Institute of Fujian Academy of Agricultural Science นำเข้าพันธุ์ 'Miaoqiao' ในปี 1981 และพันธุ์ 'Shichupu' 'Fantong' และ 'Yideng' นำเข้ากลางปี 2533 (ค.ศ. 1990) ในขณะที่ Fujian Institute of Tropical Crops นำเข้าไปได้อีก 6 สายพันธุ์ ในปี 2529 (ค.ศ. 1986) และ ปี 2536 (ค.ศ. 1993) ได้แก่ 'Miaoqiao' 'Yideng' 'Yixiao' 'Yiduo' 'Fantong' และ 'Shizhongpu' (Pan *et al.*, 2010) ซึ่งลำไยพันธุ์ไทยเหล่านี้ จึงนำเข้าไปรวบรวมไว้เพื่อศึกษาถึงลักษณะการเจริญเติบโตและการปรับสภาพเพื่อเปรียบเทียบและใช้ประโยชน์ต่อไป

ในประเทศออสเตรเลียก็มีนำเข้าพันธุ์จากต่างประเทศ ไปปลูกทดสอบด้วยเช่นกัน โดยมีการทดสอบคุณภาพของผลลำไยพันธุ์ต่างๆ ได้แก่ พันธุ์ เบี้ยวเขียว (Beow Keow) เบริช (Birch) เซียนเลียว (Chien Liou) ชมพู 1 (Chompoo 1) ชมพู 2 (Chompoo 2) ดอ (Daw) ดวน ยู (Duan Yu) ผ่า โสก ชัย (Fa Hok Chai) ฟุ โค 2 (Fuhko 2) หัว (Haew) เลียว โอ (Liao) เค สวินนี (Kay Sweeney) โคฮาล่า (Kohala) พร โหญ่ (Porn Yai) ลิง กีบ (Saig Geeb) ชิค ยิป (Shek Yip) และ ไว (Wai) ซึ่งจะเห็นว่า ชื่อพันธุ์บางส่วนเป็นพันธุ์ที่นำเข้ามาจากประเทศไทย เช่น เบี้ยวเขียว สีชมพู (หรือชมพู) หัว อีแดง (แดง) หรือ อีไว (ไว) เป็นต้น และพบว่า ลำไยจากประเทศไทยคือพันธุ์ เบี้ยวเขียวเป็นลำไยคุณภาพที่มีความต้องการของตลาดในออสเตรเลียสูงมาก เนื่องจากมีคุณสมบัติในระดับที่ดีถึงดีมากและมาเป็นอันดับหนึ่งเมื่อเทียบกับพันธุ์อื่นๆ ที่ทดสอบ (Winston *et al.*, 1993)

ปัญหาอย่างหนึ่งของการปรับปรุงพันธุ์และพัฒนาพันธุ์ไม้ผล โดยเฉพาะลำไยและลิ้นจี่ คือ ต้องใช้ระยะเวลาทดสอบนานจึงอาจเป็นเงื่อนไขที่ทำให้มีคณหรือนักวิชาการทำงานด้านนี้น้อย หากสามารถผสมได้ และได้เมล็ดลูกผสมแล้ว การทดสอบคุณสมบัติของลูกผสมได้ในระยะเวลาอันสั้น จะช่วยให้สามารถปรับปรุงพันธุ์ไม้ผลได้เร็วขึ้น

การย่นระยะเวลาการให้ผลผลิตหรือการลดระยะเวลาเยาว์วัย (juvenile period) วิธีการหนึ่งที่นิยมใช้ คือ การต่อกิ่งบนต้นที่เคยให้ผลผลิตแล้ว เช่น ในมะม่วงได้มีทำอย่างแพร่หลายโดยให้ต้นแม่เป็นตัวชักนำการออกดอก ส่วนในพืชอื่น เช่น ส้ม มีรายงานการนำยอดของลูกผสมมาต่อกิ่งบนต้นต่อใช้ระยะเวลาในการออกดอก ตัดผล 5-6 ปี (Furr *et al.*, 1947) ในประเทศญี่ปุ่นมีรายงานการนำต้นกล้าส้มลูกผสมมาต่อกิ่งบนต้นที่ให้ผลผลิตแล้วเพื่อย่นระยะเวลาการออกดอกพบว่าคู่ผสม 1 ใน 3 สามารถออกดอกได้ภายในเวลา 2 ปีครึ่ง (Mitani *et al.*, 2008)

ดังนั้นสมมติฐานในการศึกษาเรื่องการย่นระยะเวลาของลูกผสม หนึ่งในกิจกรรมของโครงการย่อยนี้ จะใช้การต่อกิ่ง (grafting) เพื่อให้ต้นลำไยลูกผสมเจริญเติบโตเร็ว โดยใช้วิธีเปลี่ยนการนำยอดลูกผสมต้นกล้าลำไยมาต่อบนยอดบนต้นใหญ่ที่ให้ผลผลิตแล้วโดยใช้วิธีการ (Top working) และการชักนำการออกดอกด้วยให้สารโพแทสเซียมคลอไรด์

จากข้อสังเกตของพาวิน(ติดต่อบางตัว) ที่ให้สาร โฟแทสซีมคลอเรตกับต้นกล้าลำไย อายุ 2 ปี พบว่าสามารถชักนำให้ลำไยออกดอกได้ แต่การทดลองไม่ได้มีการศึกษาจริงจึงเพียงแต่เป็นการทดสอบการชักนำการออกดอกของต้นลำไยเท่านั้น แต่ก็เป็นข้อสังเกตได้ว่าต้นกล้าที่ได้จากการเพาะเมล็ดสามารถออกดอกได้ถ้าชักนำด้วยสาร โฟแทสซีมคลอเรต การให้สาร โฟแทสซีมคลอเรตในลำไยตั้งแต่ต้นพบสารจนถึงปัจจุบันพบว่ายังสามารถกระตุ้นการออกดอกได้ทุกปี ดังนั้น สาร โฟแทสซีมคลอเรต น่าจะช่วยย่นระยะเวลาการออกดอก ติดผลและการให้ผลผลิตได้

นอกจากนี้ยังพบว่า หากสามารถพัฒนาการการเจริญเติบโตของต้นกล้าให้โตเร็วขึ้น โดยการให้น้ำ อาจจะทำให้ต้นกล้าที่อ่อนอยู่พัฒนาเข้าสู่ระยะเจริญพันธุ์ได้เร็วขึ้น ซึ่งอาจจะเป็นแนวทางการย่นระยะเวลาการออกดอก ติดผลของลำไยได้ เหมือนที่มีรายงานในเรื่องการให้น้ำในต้นกล้าฝรั่ง ซึ่งพบว่าสูตรน้ำและอัตราน้ำที่ต่างกันมีผลทำให้ต้นกล้าฝรั่งการเจริญเติบโต ได้ดีกว่าต้นไม้น้ำ (พรรณพิไล, 2541) ซึ่งจะช่วยให้ออกดอกติดผลได้เร็วขึ้น

อุปกรณ์และวิธีการ

กลยุทธ์การดำเนินงานวิจัยในปีที่สอง (2556) จะแยกออกดำเนินการเป็น 3 กิจกรรมหลักที่เกี่ยวข้องสัมพันธ์กัน โดยแต่ละกิจกรรมจะมีนักวิจัยผู้เชี่ยวชาญเฉพาะด้าน รับผิดชอบงานวิจัย ดังนี้

- กิจกรรมที่ 1 การสร้างแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยและการศึกษาลักษณะประจำพันธุ์ รับผิดชอบกิจกรรมโดย ผศ.ดร.ธีรนุช เจริญกิจ และคณะ มีวัตถุประสงค์หลักคือการรวบรวมพันธุ์ลำไย และศึกษาลักษณะประจำพันธุ์ จัดทำแผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์ และจัดเตรียมดินฉบับเพื่อจัดพิมพ์หนังสือพันธุ์ลำไยในอนาคต
- กิจกรรมที่ 2 การปรับปรุงพันธุ์ลำไย โดยวิธีการผสมข้ามและการทดสอบลูกผสมที่ได้ รับผิดชอบกิจกรรมโดย ผศ.ฉันทนา วิชรรัตน์ และคณะ ซึ่งจะสร้างลูกผสม จากกลุ่มผสม (พ่อ-แม่พันธุ์ดี) ที่ได้รับคำแนะนำจาก ผศ.พาวิน มะโนชัย และวิธีการทดสอบลูกผสมทางชีวโมเลกุล โดยใช้เครื่องหมายโมเลกุล ที่รับผิดชอบโดย ผศ.ดร.แสงทอง พงษ์เจริญกิต
- กิจกรรมที่ 3 การศึกษาวิธีการย่นระยะเวลาการทดสอบลูกผสมรับผิดชอบกิจกรรมโดยนางจิรนนท์ เสนานาญ และคณะ มีวัตถุประสงค์เพื่อหาวิธีย่นระยะเวลาการเจริญเติบโตทางกิ่งก้านใบ (vegetative growth) หรือระยะเยาว์วัย (juvenile stage) ของลำไยลูกผสมที่ได้ อาจจะโดยการเล็บบยอดต้นใหญ่ การให้น้ำเคมีเพื่อเร่งอัตราเจริญเติบโตของต้นกล้าที่ได้ หรือเทคนิคการโน้มกิ่ง หรือการตัดยอดต้นกล้าเพื่อกระตุ้นการเจริญเติบโต เป็นต้น

เพื่อความสะดวกและเข้าใจง่าย นักวิจัยจึงจะรายงาน โดยการเขียน อุปกรณ์วิธีการและ ผลการทดลองแยกแต่ละกิจกรรมไปส่วนๆไป เนื่องจากแต่ละกิจกรรมมีงานทดลองปลีกย่อยมาก รวมทั้งอุปกรณ์วิธีการดำเนินงานที่แตกต่างกันโดยสิ้นเชิง การอ่านวิธีการทดลองและผลการทดลอง ที่ได้จากแต่ละงานทดลองทันที จะทำให้เข้าใจง่ายและไม่สับสน

ผลการวิจัย

กิจกรรมที่ 1. การสร้างแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยและการศึกษาลักษณะประจำพันธุ์ (ชिरนุช และ คณะ)

วิธีการทดลองกิจกรรมที่ 1

1. ดำเนินการดูแลและปรับปรุงลำไยในแปลงรวบรวมพันธุ์ รวมถึงการจัดทำผังแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยในมหาวิทยาลัยแม่โจ้
2. แลกเปลี่ยนชิ้นส่วน หรือ รวบรวมพันธุ์ดีจากแหล่งรวบรวมพันธุ์แหล่งอื่น
3. รวบรวมข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์ รวมถึงการบันทึกประวัติรายต้นและแหล่งที่มาของสายพันธุ์ รวมทั้งภาพประกอบเพื่ออธิบายลักษณะประจำพันธุ์
4. ออกแบบและจัดเตรียมเนื้อหาสำหรับทำต้นฉบับ หนังสือพันธุ์ลำไยที่จะพิมพ์ในอนาคต เพื่อเผยแพร่หรือจำหน่าย

ผลการทดลองกิจกรรมที่ 1

1.1 พันธุ์ลำไยและการรวบรวม ในมหาวิทยาลัยแม่โจ้

การรวบรวมพันธุ์ลำไย ได้ดำเนินการรวบรวมไว้ในพื้นที่ต่างๆ โดยแยกออกเป็นพื้นที่จำนวนรวม 5 แปลง ซึ่งพันธุ์ลำไยแต่ละแปลงที่รวบรวมไว้อาจจะเหมือนหรือแตกต่างกัน แล้วแต่แหล่งพันธุ์ที่ได้มาเพิ่มเติม โดยสรุป ข้อมูลพันธุ์ลำไยที่รวบรวมจากทุกแปลงมีจำนวน 32 สายพันธุ์ (ตารางที่ 1) โดยแยกแปลงที่รวบรวมพันธุ์ ดังนี้

แปลงที่ 1 แปลงหน้าอาคารปฏิบัติการสาขาไม้ผล 25 ปี จำนวน 20 สายพันธุ์

แปลงที่ 2 พันธุ์ที่ปลูกไว้ในท่อ หน้าอาคารปฏิบัติการสาขาไม้ผล 25 ปี จำนวน 13 สายพันธุ์

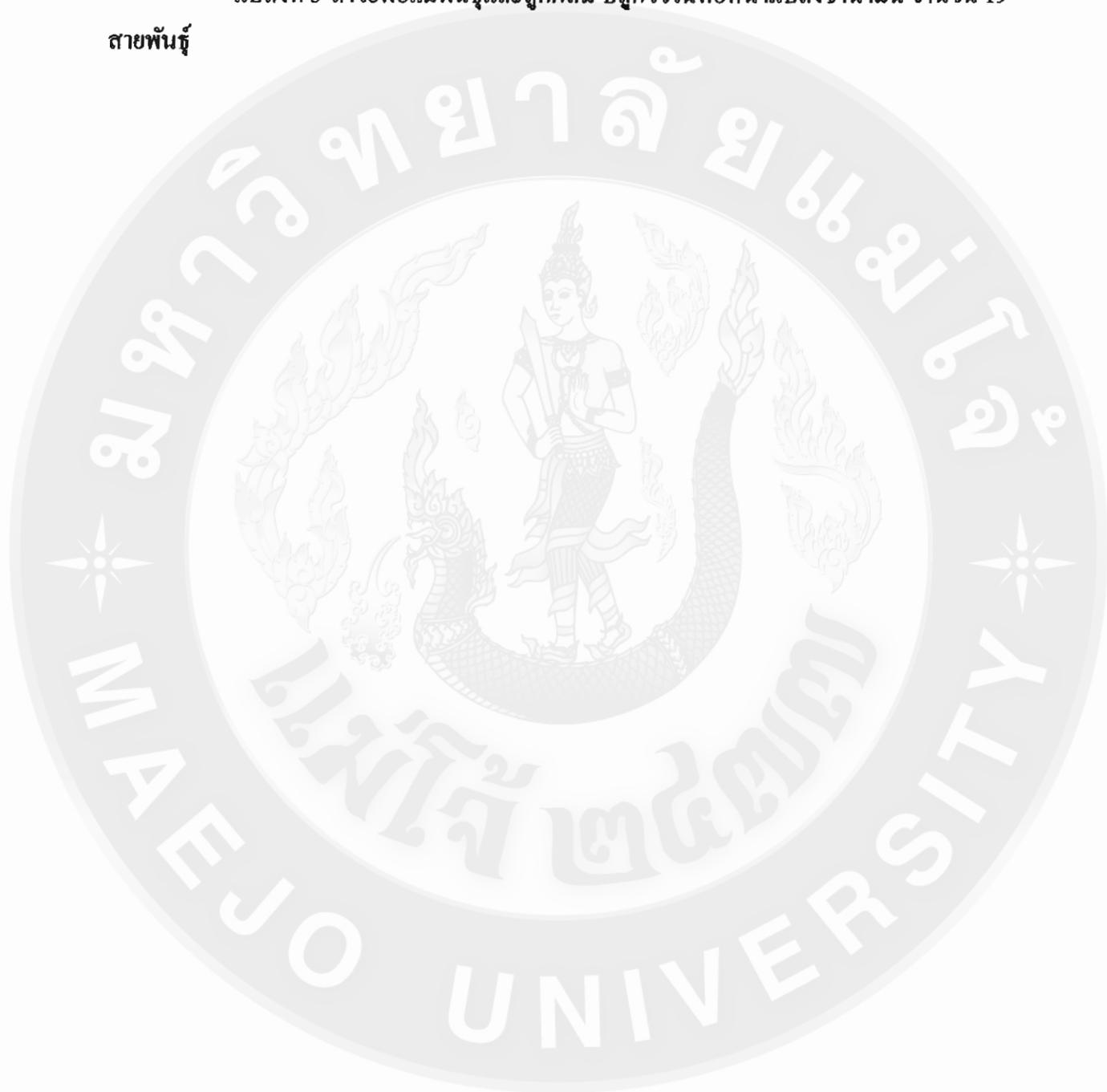
แปลงที่ 3 แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยในพื้นที่ 216 ไร่ (แปลงต้นเล็ก) จำนวน 14 สายพันธุ์

แปลงที่ 4 แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยในพื้นที่ 216 ไร่ (แปลงคั้นที่บอนมาจากหน้าสาขา)

จำนวน 6 สาย

แปลงที่ 5 ลำไยพ่อแม่พันธุ์และลูกผสม ปลูกไว้ในท่อหน้าแปลงชาน้ำมัน จำนวน 19

สายพันธุ์

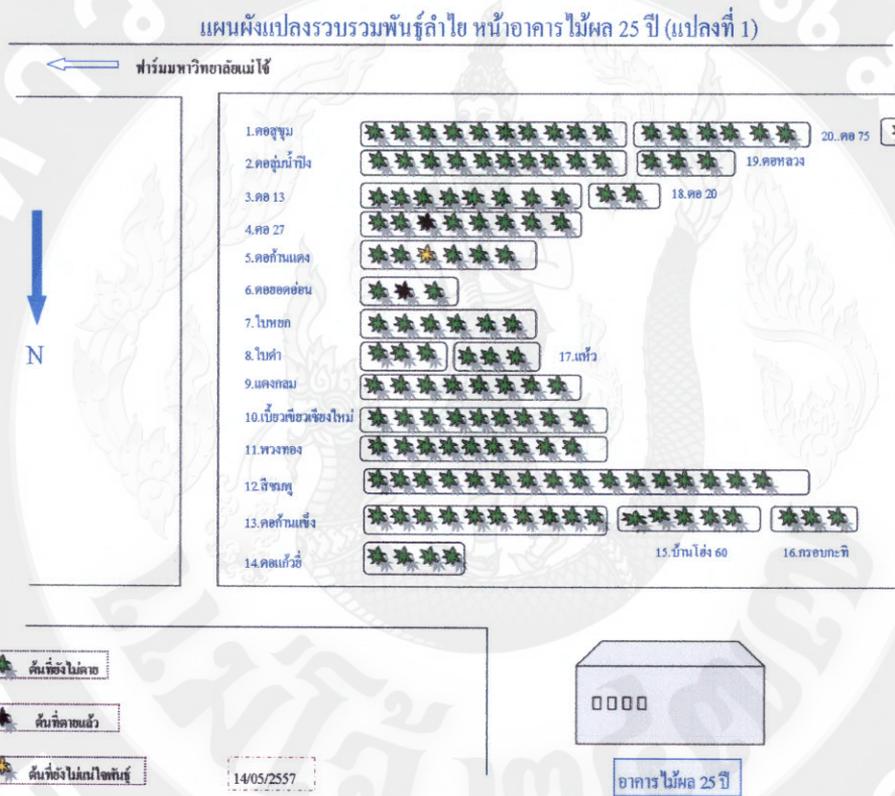


ตารางที่ 1 จำนวนพันธุ์ลำไย และแหล่งที่รวบรวมในพื้นที่ของมหาวิทยาลัยแม่โจ้ (ไม่รวมลูกผสม)
ปี 2556

| ที่ | ลำดับเดิม เก็บข้อมูล | ชื่อพันธุ์ | แปลงที่รวบรวม | | | | |
|---------------------------------------|-------------------------|---------------------|---------------|----|----|---|----|
| | | | 1 | 2 | 3 | 4 | 5 |
| 1 | 1 | กรอบกะทิ | ✓ | - | - | - | ✓ |
| 2 | 3 | โคยธา | - | ✓ | - | - | ✓ |
| 3 | 4 | จัมโบ้ | - | ✓ | - | - | ✓ |
| 4 | 5 | ซูเหล็ก | - | - | - | - | ✓ |
| 5 | - | คอ/ อีคอ | - | ✓ | - | - | ✓ |
| 6 | 6 | คอ 13 | ✓ | - | ✓ | - | - |
| 7 | 7 | คอ 20 | ✓ | - | - | - | - |
| 8 | 8 | คอ 27 | ✓ | - | ✓ | - | ✓ |
| 9 | 9 | คอ 75 | ✓ | - | ✓ | - | - |
| 10 | 10 | คอก้านแข็ง | ✓ | - | ✓ | - | - |
| 11 | 11 | คอก้านแดง | ✓ | - | ✓ | - | - |
| 12 | 12 | คอแก้วซี่ | ✓ | ✓ | - | - | - |
| 13 | 14 | คอบขค้ออ่อน | ✓ | - | ✓ | - | - |
| 14 | - | คอสูงมี | - | - | ✓ | - | - |
| 15 | 15 | คอกลมน้ำปิง | ✓ | - | ✓ | - | ✓ |
| 16 | 16 | คอตุ่ม | ✓ | - | ✓ | - | - |
| 17 | 17 | คอหลวง | ✓ | - | - | - | - |
| 18 | 18 | แดงกลม | ✓ | ✓ | - | - | ✓ |
| 19 | 19 | น้ำผึ้งทวาย | - | ✓ | - | ✓ | - |
| 20 | 20 | บ้านโฮ้ง 60 | ✓ | - | - | - | - |
| 21 | 21 | เบียวเขียวเชียงใหม่ | ✓ | ✓ | ✓ | - | ✓ |
| 22 | 23 | ใบดำ | ✓ | - | ✓ | - | ✓ |
| 23 | 24 | ใบหยก | ✓ | - | ✓ | - | ✓ |
| 24 | 25 | ปิงปอง | - | - | - | ✓ | ✓ |
| 25 | 26 | ป๋มดินโค้ง | - | - | - | ✓ | ✓ |
| 26 | 27 | ทวงทอง | ✓ | ✓ | ✓ | - | ✓ |
| 27 | 29 | เพชรสาร | - | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 28 | - | ต้นจี | - | - | - | - | ✓ |
| 29 | 30 | ต้นหมื่น | - | ✓ | - | - | - |
| 30 | 31 | เถา | - | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 31 | 32 | สีชมพู | ✓ | ✓ | - | - | ✓ |
| 32 | 33 | แก้ว | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| รวมจำนวนสายพันธุ์ที่รวบรวมในแต่ละแปลง | | | 20 | 13 | 14 | 6 | 19 |

1.2 ผังแปลงรวบรวมพันธุ์ทั้ง 5 แปลง

แปลงที่ 1 แปลงรวบรวมพันธุ์เริ่มต้นที่หน้าอาคารปฏิบัติการไม้ผล 25 ปี มีพื้นที่ประมาณ 2 ไร่ เดิมมีจำนวนพันธุ์ 26 สายพันธุ์ แต่มีการปรับปรุงพื้นที่โดยมีการขุดบ่อเพื่อกักเก็บน้ำ ทำให้ต้องรื้อถอนพันธุ์บางส่วนออกไป ปัจจุบันมีจำนวนพันธุ์ลำไยที่ปลูกรวบรวมไว้ในพื้นที่เดียวกันจำนวน 20 สายพันธุ์ โดยมีผังแปลงรวบรวมพันธุ์และรายชื่อพันธุ์ตามผังแปลงแสดงไว้ในภาพที่ 1



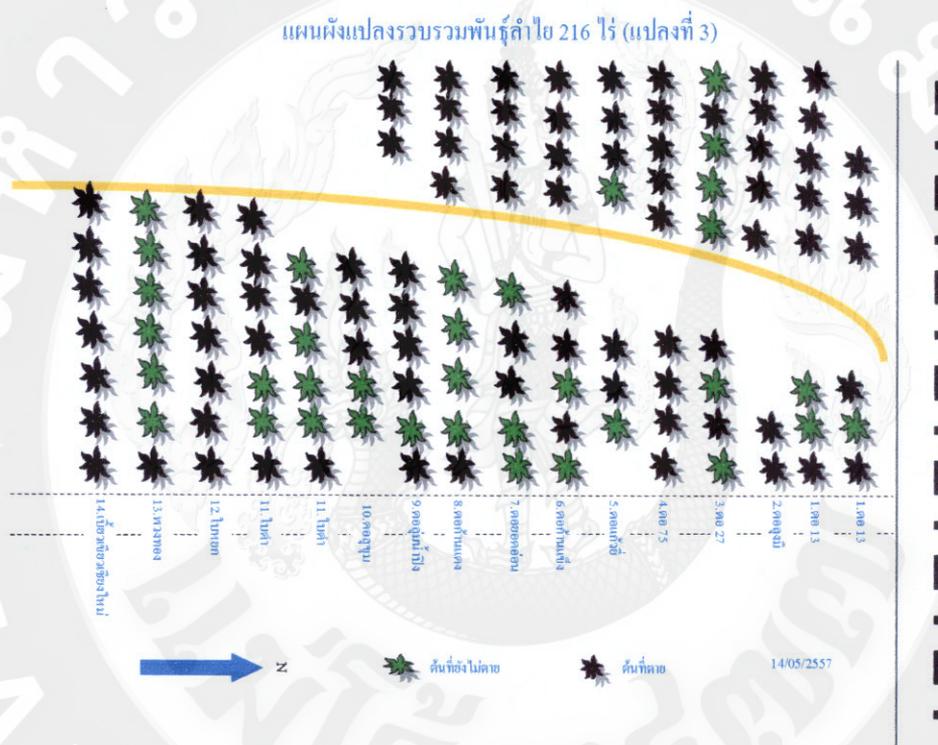
ภาพที่ 1 แผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์หน้าอาคารปฏิบัติการไม้ผล 25 ปี

แปลงที่ 2 เป็นพันธุ์ลำไยที่ปลูกไว้ในท่อ โดยใช้กิ่งเสียบ เริ่มพัฒนาแปลงนี้ในปี 2554 เนื่องจากพบว่า ลำไยในแปลงรวบรวมพันธุ์บางส่วนมีการเจริญเติบโตไม่ดี และมีพันธุ์ที่ได้รับมาใหม่ ประกอบกับไม่สามารถขยายพื้นที่เพื่อปลูกเพิ่มเติมในแปลงที่ 1 ได้ จึงวางแผนปลูกไว้ในท่อเพื่อสามารถอนุบาลได้ง่ายและสะดวกต่อการชักนำให้ออกดอก เพื่อวัตถุประสงค์ในการปรับปรุงพันธุ์ต่อไป โดยจำนวนท่อทั้งหมดมี 26 ท่อ มีพันธุ์ปลูกรวม 13 สายพันธุ์โดยมีผังแปลงรวบรวมพันธุ์ และรายชื่อพันธุ์ดังแสดงในภาพที่ 2



ภาพที่ 2 แผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์ในท่อ หน้าอาคารปฏิบัติการไม้ผล 25 ปี

แปลงที่ 3 แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยที่พัฒนาใหม่ อยู่ในพื้นที่ 216 ไร่ ที่ดูแลพื้นที่โดย สำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร ของมหาวิทยาลัยแม่โจ้ แปลงนี้เริ่มพัฒนามาตั้งแต่ ประมาณปี 2552-2553 แต่เนื่องจากอยู่ในสภาพที่แห้งแล้ง และปริมาณน้ำไม่เพียงพอ ประกอบกับ ไกลจากพื้นที่อื่นๆ ของมหาวิทยาลัย ทำให้ดูแลไม่ทั่วถึง ต้นลำไยที่คัดเลือกมาทำการขยายพันธุ์ไว้ บางส่วนจึงไม่ค่อยเจริญเติบโตและมีตายไปบ้าง ลักษณะต้นเป็นต้นที่ยังเล็กและยังไม่ให้ผลผลิต แผนผังและรายชื่อพันธุ์ดังแสดงไว้ในภาพที่ 3



ภาพที่ 3 แผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยในพื้นที่ 216 ไร่ของสำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร (แปลงต้นเล็ก)

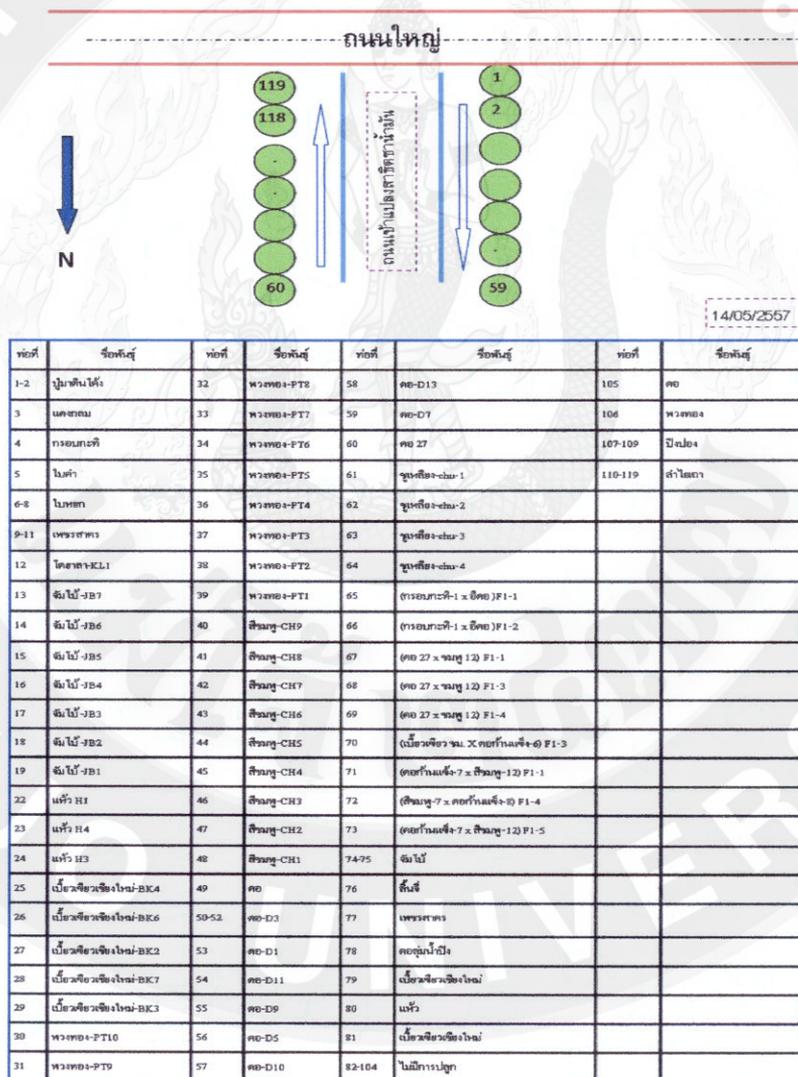
แปลงที่ 4 แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยในพื้นที่ 216 ไร่ ที่เริ่มพัฒนามาตั้งแต่ประมาณปี 2552-2553 พร้อมกับแปลงที่ 3 แต่ต้นลำไยที่ปลูก เป็นลำไยต้นใหญ่ ที่ย้าย (บอน) มาจากพื้นที่แปลงรวบรวมพันธุ์หน้าอาคารปฏิบัติการสาขาไม้ผล 25 ปี (แปลงที่ 1) เนื่องจากพื้นที่เดิมส่วนที่ลุ่ม มีการปรับฝั่งเป็นการขุดบ่อเพื่อกักเก็บน้ำ จึงต้องย้ายต้นลำไยบางส่วนออก แปลงที่นำไปปลูก แม้จะอยู่ในบริเวณเดียวกันกับแปลงที่ 3 แต่ต่างพื้นที่ (อยู่คนละฝั่งถนน) แผนผังและรายชื่อพันธุ์ ดังแสดงไว้ในภาพที่ 4



ภาพที่ 4 แผนผังแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยในพื้นที่ 216 ไร่ของสำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร (แปลงต้นใหญ่)

แปลงที่ 5 ลำไยในแปลงนี้เป็นส่วนที่พัฒนาขึ้นใหม่ในปี 2556 เป็นลำไยพ่อแม่พันธุ์ดี ที่ได้รับการคัดเลือก (แยกเป็นสายต้น) เพื่อนำมาใช้ในโครงการปรับปรุงพันธุ์และสร้างลูกผสม โดยปลูกไว้ในท่อขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 80 เซนติเมตร มีลูกผสมที่สร้างได้จากปีที่ 1 จำนวนหลาย คู่ผสมมาปลูกไว้เพื่อรอการทดสอบต่อไป จำนวนท่อทั้งหมดมีประมาณ 119 ท่อ แต่ปัจจุบัน (2557) ได้ทำการปลูกไปแล้วจำนวน 97 ท่อ รวมจำนวน 18 สายพันธุ์ (ไม่นับรวมลูกผสม) แผนผังและรายชื่อพันธุ์ ดังแสดงไว้ในภาพที่ 5

แผนผังแปลงรวมพันธุ์ลำไยพันธุ์ผสม (แปลงที่ 5)



ภาพที่ 5 แผนผังแปลงรวมรวมพ่อแม่พันธุ์และลูกผสมลำไยที่ได้ ในท่อ ริมถนนทางเข้าแปลงชา น้ามัน

1.3 การรวบรวมข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์

อาจมีความยุ่งยากในการดำเนินงานรวบรวมลักษณะประจำพันธุ์ ของลำไยพันธุ์ต่างๆ ที่อยู่ในโครงการวิจัยอยู่บ้าง เนื่องจากลำไยบางพันธุ์มีขนาดต้นที่ยังเล็ก ไม่สมบูรณ์ และยังไม่ออกดอกติดผลให้สามารถเก็บข้อมูลได้ครบถ้วน หรือบางส่วนมีการออกดอกติดผลไม่พร้อมกัน นอกจากนี้ยังประสบกับปัญหาการเปลี่ยนแปลงของสภาพอากาศที่ทำให้ ในบางปี ลำไยในแปลงรวบรวมพันธุ์ไม่ออกดอก หรือออกดอกแต่ไม่ติดผล ทำให้การเก็บข้อมูลไม่สมบูรณ์เท่าที่ควร จึงจำเป็นต้องใช้ระยะเวลาในการรวบรวมข้อมูลนานขึ้น การเก็บข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์ต่างๆ จะใช้ตารางบันทึกข้อมูลแต่ละสายพันธุ์แยกกัน ซึ่งอาจจะไม่สามารถเก็บรายละเอียดที่ต้องการทุกสายพันธุ์ในช่วงเวลาเดียวกันได้ เพราะต้นลำไยมีการปลูกและพัฒนาการไม่พร้อมกัน

ในเบื้องต้น การเก็บข้อมูลจะเน้นเรื่องของคุณภาพผลเป็นหลัก ยังไม่มีการเก็บข้อมูลดอกและเพศดอก และบางปีลำไยออกดอกไม่สม่ำเสมอ ทำให้ไม่สามารถเก็บข้อมูลได้ ข้อมูลส่วนของดอกหรือสัดส่วนเพศดอก จึงยังไม่ได้ดำเนินการ จึงมีความจำเป็นต้องดำเนินการติดตามการเก็บข้อมูลในปีต่อๆ ไป โดยสรุปข้อมูลที่รวบรวมไว้ ประกอบด้วยข้อมูลกลุ่มใหญ่ ๆ 5 ส่วน คือ

1. ภาพประกอบสายพันธุ์ ประกอบด้วย ภาพใบ ช่อผล ขนาดผล เป็นต้น
2. ข้อมูลใบ ประกอบด้วย จำนวนก้านใบ สีใบ ขนาดใบ รูปร่างของใบ เป็นต้น
3. ข้อมูลดอก ประกอบด้วย ขนาดช่อดอก จำนวนดอกต่อช่อ สัดส่วนเพศดอก (เพศผู้ เพศเมีย)
4. ข้อมูลคุณภาพผล ประกอบด้วย ขนาดและน้ำหนักของช่อผล และจำนวนผลต่อช่อ และส่วนประกอบของ เปลือก และเนื้อ (ขนาด น้ำหนัก และปริมาณของแข็งที่ละลายน้ำได้)
5. ข้อมูลส่วนของเมล็ด ประกอบด้วย สีของเมล็ด ขนาดและน้ำหนัก เป็นต้น

ข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์ลำไยที่รวบรวมได้ในปี 2556 นี้ ได้สรุปไว้ในตารางที่ 2 โดยพบว่าจากทั้งหมดจำนวน 32 สายพันธุ์ที่มีอยู่ในแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยทั้ง 5 พื้นที่ มีการเก็บภาพประกอบสายพันธุ์แล้วเสร็จร้อยละ 61 เก็บข้อมูลใบแล้วเสร็จ ร้อยละ 81 ข้อมูลผลและเมล็ดแล้วเสร็จร้อยละ 65 และที่ยังไม่ได้ดำเนินการเลยคือข้อมูลช่อดอกและเพศดอก (ตารางที่ 2)

นอกจากนี้ยังพบว่า เมื่อสิ้นสุดระยะเวลาดำเนินงานวิจัยในปี 2556 ลำไยบางพันธุ์ เป็นต้นที่ปลูกไว้ในพื้นที่อื่น เช่น ลำไยพื้นเมือง (ลำไยเมือง) ซึ่งเป็นต้นดั้งเดิมอยู่ใกล้กับอาคาร อำนวยยศสุข หรือลำไยกระดุก ที่ต้นดั้งเดิมอยู่ในพื้นที่ของสถานีรถไฟ เชียงใหม่ พันธุ์คอกลาง อยู่ที่ศูนย์บัญชาการ พลชมชื่น (30 หมู่ 2 บ้านพญาชมภู ต. ชมพู อ. สารภี จ. เชียงใหม่) และพันธุ์เบี้ยวเขียวป่าเส้า อยู่ที่ศูนย์ คำรณ สุรินธรรม (113/1 หมู่ 8 บ้านหลุก ต. เหมือนง่า อ. เมือง จ. ลำพูน) ซึ่งใน

อนาคต จะต้องดำเนินการขยายพันธุ์เพื่อนำมาปลูกไว้ในแปลงรวบรวมพันธุ์ต่อไป อันจะเป็นการลดความเสี่ยงต่อการสูญหายและเป็นการอนุรักษ์ลำไยพันธุ์ดั้งเดิมไว้ด้วยอีกทางหนึ่ง ในขณะที่เดียวกัน ยังพบว่า ลำไยพันธุ์ "คอรูงมิ" ซึ่งมีอยู่ในแปลงรวบรวมพันธุ์แปลงที่ 3 พบว่า ได้สูญหาย (ตาย) หมด ทำให้ต้องหาจากแหล่งพันธุ์อื่นมารวบรวมไว้ต่อไป



ตารางที่ 2 ข้อมูลที่รวบรวมแล้วเสร็จและสัดส่วนที่รวบรวมได้ในปี 2556

| ที่ | ลำดับเดิม เก็บข้อมูล | ชื่อพันธุ์ | ลักษณะข้อมูลที่รวบรวมได้ในปี 2556 | | | | |
|--------------------------------|-------------------------|---------------------|-----------------------------------|----|-----|----|-------|
| | | | ภาพ | ใบ | ดอก | ผล | เมล็ด |
| 1 | 1 | กรอบกะทิ | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 2 | 3 | โคยาลา | - | - | - | - | - |
| 3 | 4 | จัมโบ้ | - | ✓ | - | - | - |
| 4 | 5 | ซูลีเยง | - | ✓ | - | - | - |
| 5 | - | คอ/ ฮีคอ | - | - | - | - | - |
| 6 | 6 | คอ 13 | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 7 | 7 | คอ 20 | ✓ | - | - | ✓ | ✓ |
| 8 | 8 | คอ 27 | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 9 | 9 | คอ 75 | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 10 | 10 | คอก้านแข็ง | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 11 | 11 | คอก้านแดง | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 12 | 12 | คอแก้วอี | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 13 | 14 | คอกออ่อน | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 14 | - | คอสูงมี | - | - | - | - | - |
| 15 | 15 | คอกลมน้ำปิง | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 16 | 16 | คอตุ่ม | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 17 | 17 | คอหลวง | ✓ | - | - | ✓ | ✓ |
| 18 | 18 | แดงกลม | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 19 | 19 | น้ำผึ้งทวาย | - | ✓ | - | - | - |
| 20 | 20 | บ้านไร่ 60 | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 21 | 21 | เขียวเขียวเขียงใหม่ | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 22 | 23 | ใบคำ | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 23 | 24 | ใบหยก | - | ✓ | - | - | - |
| 24 | 25 | ปิงปอง | - | ✓ | - | - | - |
| 25 | 26 | ปทุมดินโค้ง | - | ✓ | - | - | - |
| 26 | 27 | พวงทอง | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 27 | 29 | เพชรสาร | - | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 28 | - | ลิ้นจี่ | - | - | - | - | - |
| 29 | 30 | คันหมื่น | - | - | - | - | - |
| 30 | 31 | เถา | - | ✓ | - | - | - |
| 31 | 32 | สีชมพู | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| 32 | 33 | แก้ว | ✓ | ✓ | - | ✓ | ✓ |
| ร้อยละที่รวบรวมข้อมูลแล้วเสร็จ | | | 61 | 81 | 0 | 65 | 65 |

1.4 เครือข่ายแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยและการให้บริการแลกเปลี่ยนพันธุ์ลำไย

นอกจากแปลงรวบรวมพันธุ์ในมหาวิทยาลัยแม่โจ้แล้ว มีการประสานงานและแลกเปลี่ยนพันธุ์กับแหล่งรวบรวมอื่นๆ อย่างน้อย 3 แหล่งได้แก่

1. แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยของ ศูนย์วิจัยพืชสวน เชียงราย

ได้ประสานงานกับ คร.นิพนธ์ สุขวิบูลย์ พบว่าลำไยที่ปลูกรวบรวมไว้ในศูนย์วิจัยพืชสวนเชียงรายมีอยู่ 52 สายพันธุ์ ต้นมีขนาดใหญ่ อายุไม่ต่ำกว่า 8-10 ปี เนื่องจากมีการปลูกรวบรวมไว้นานแล้ว ในเบื้องต้น ได้ขอใบลำไยพันธุ์ต่างๆ ที่รวบรวมไว้ในแปลงของศูนย์ฯ มาทำการสกัดดีเอ็นเอเพื่อเปรียบเทียบสายพันธุ์ และนำยอดพันธุ์มาเทียบกับต้นคอที่มหาวิทยาลัยแม่โจ้ เพื่อทำการขยายพันธุ์ และปลูกเป็นแหล่งพันธุ์กรรมลำไยเพิ่มเติม โดยพันธุ์ที่เทียบได้มีจำนวน 24 สายพันธุ์รวม 41 ต้น (ข้อมูล ณ วันที่ 13 พฤษภาคม 2557) ดังนี้

- | | |
|-----------------------------|-----------------------------|
| 1. ชมพูเมลิคตุครคิดต์ 5 ต้น | 13. คอสุขุม 1 ต้น |
| 2. นครพนม 2 ต้น | 14. จัมโบ้ (ลุงหมื่น) 3 ต้น |
| 3. คอตาเห็น 2 ต้น | 15. เพชรสาคร 2 ต้น |
| 4. คอคำลาง 2 ต้น | 16. คอน้ำผึ้ง 1 ต้น |
| 5. ชมพูน้ำ 2 ต้น | 17. คอน้ำผึ้งน่าน 2 ต้น |
| 6. คอยอดคขวาน่าน 3 ต้น | 18. อีเหลือง 2 ต้น |
| 7. คอคอนไชย 2 ต้น | 19. คออัมพะสุมันซ์ 1 ต้น |
| 8. เขียวพระอินทร์ 1 ต้น | 20. คอยอดคขาว 2 ต้น |
| 9. แลงแดง 1 ต้น | 21. คอทอง 1 ต้น |
| 10. อีไว 1 ต้น | 22. คอก้านแข็ง 1 ต้น |
| 11. ถิ่นจี 1 ต้น | 23. คอยอดคแดง 1 ต้น |
| 12. หัวแกระ 1 ต้น | 24. กระทุ้งแบน 1 ต้น |

รวมมีทั้งหมด 41 ต้น ซึ่งจะนำลงปลูกในแปลงเมื่อเข้าสู่ฤดูฝนต่อไป

2. แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยที่ชนะการประกวด

แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยที่ชนะการประกวด เป็นการต่อยอดจากผลงานการวิจัยของนางจิรนันท์ เสนานาญ ที่ได้รับทุนสนับสนุนการวิจัยจากสำนักงานกองทุนสนับสนุนการวิจัย (สกว.) ซึ่งมีวัตถุประสงค์เพื่อรวบรวมพันธุ์ลำไยที่เคยได้รับรางวัลชนะเลิศ หรือรองอันดับ 1-3 มา

ไว้ เพื่อศึกษาลักษณะการปรับตัว ของพันธุ์ลำไยดังกล่าวในพื้นที่ปลูกจริง ซึ่งในงานปรับปรุงพันธุ์ สามารถที่จะศึกษาเปรียบเทียบลักษณะการปรับตัวและการตอบสนองต่อสภาพแวดล้อมที่แตกต่างกัน อันจะทำให้สามารถคัดเลือกพันธุ์เพื่อรับรองเป็นพันธุ์ใหม่ได้ต่อไป แต่งานศึกษาในช่วงแรกนี้ยังเป็นเพียงการศึกษาลักษณะการเจริญทางด้านกิ่งก้านใบ (vegetative growth) เป็นหลัก เนื่องจากยังเป็นต้นลำไยที่ยังมีอายุน้อย

แปลงรวบรวมพันธุ์ที่ชนะการประกวดดังกล่าวที่สามารถทำการติดต่อเจ้าของและขอขยายพันธุ์จากต้นแม่มาได้รวมจำนวน 14 รายการ แยกเป็นพันธุ์สีชมพู 2 รายการ พันธุ์เขียวเขียวเขียวใหม่ 4 รายการ พันธุ์อีดอ 5 รายการและพันธุ์พวงทอง จำนวน 3 รายการ รวมจำนวนกิ่งพันธุ์ทั้งหมด 169 สายต้น แบ่งปลูกไว้ 2 พื้นที่ คือแปลงที่ 1 (70 สายต้น) สวนเกษตรกรบ้านเจดีย์เจริญ ต.แม่แฝดใหม่ อ.สันทราย จ. เชียงใหม่ (เริ่มปลูก 1 กุมภาพันธ์ 2554) และแปลงที่ 2 (99 สายต้น) ที่แปลง 216 ไร่ สำนักวิจัยและส่งเสริมวิชาการการเกษตร มหาวิทยาลัยแม่โจ้ (เริ่มปลูก 22 ตุลาคม 2554) ปลูกโดยใช้ระยะชิด คือ 2x3 เมตร และ 3x3 เมตร สำหรับแปลงที่ 1 และ 2 ตามลำดับ โดยสรุปเป็นสายพันธุ์และสายต้นที่ปลูกรวบรวมไว้ในตารางที่ 2 ซึ่งลำไยพันธุ์ที่ชนะการประกวดดังกล่าว ปัจจุบันมีการเจริญเติบโตทางกิ่งก้านใบที่สมบูรณ์ มีความสูงทรงพุ่มประมาณ 1.5 - 3 เมตร แต่ยังไม่มีการออกดอกติดผลตามธรรมชาติ (ตารางที่ 3)

ตารางที่ 3 ลำดับชื่อพันธุ์และจำนวนสายต้นลำไยพันธุ์ที่เคยได้รับรางวัลในการประกวดที่รวบรวมไว้ในแปลงเกษตรกร รวม 169 สายต้น

| ลำดับที่ | ชื่อพันธุ์ | ลำดับที่ชนะ | ปีประกวด | จำนวนรวม(ต้น) | แปลงที่ 1 (ต้น) | แปลงที่ 2 (ต้น) | หมายเหตุผู้ประกวด |
|----------|---------------------|--|------------|---------------|-----------------|-----------------|-------------------|
| 1 | สีชมพู | ชนะเลิศอันดับ 1 | 2553, 2554 | 23 | 8 | 15 | 1 |
| 2 | สีชมพู | ชนะเลิศอันดับ 1 ปี 2549 และที่ 3 ปี 2552 | 2549, 2552 | 14 | 4 | 10 | 1 |
| 3 | เขียวเขียวเขียวใหม่ | ชนะเลิศอันดับ 1 ปี 52 | 2552 | 12 | 4 | 8 | 1 |
| 4 | เขียวเขียวเขียวใหม่ | ชมเชย ปี 52 | 2552 | 12 | 4 | 8 | 1 |
| 5 | เขียวเขียวเขียวใหม่ | ชนะเลิศอันดับ 1 ปี 53 | 2553 | 9 | 4 | 5 | 1 |
| 6 | เขียวเขียวเขียวใหม่ | ชนะเลิศ 2 และ 3 | 2553 | 12 | 4 | 8 | 1 |
| 7 | อีดอ | ชนะเลิศอันดับ 1 | 2552 | 9 | 4 | 5 | 2 |
| 8 | อีดอ | ชนะเลิศอันดับ 1 และ 2 | 2551 | 10 | 6 | 4 | 1 |
| 9 | อีดอ | ชนะเลิศ 2 | 2553 | 9 | 5 | 4 | 1 |
| 10 | อีดอ | ชมเชย ปี 53 | 2553 | 9 | 5 | 4 | 1 |
| 11 | อีดอ | ชมเชย ปี 51 | 2551 | 8 | 4 | 4 | 1 |
| 12 | พวงทอง | ไม่มีการประกวด | - | 14 | 6 | 8 | 3 |
| 13 | พวงทอง | ไม่มีการประกวด | - | 14 | 6 | 8 | 4 |
| 14 | พวงทอง | ไม่มีการประกวด | - | 14 | 6 | 8 | 5 |
| รวม | | | | 169 | 70 | 99 | |

| หมายเหตุ | |
|----------|---|
| 1 | สำนักงานเกษตรจังหวัดเชียงใหม่ ในงานเทศกาลลำไย ถิ่นสวนต้นลำไย พันธ์สามด หวังผลิตลิ้นจี่ ลำซุน |
| 2 | งานวันลำไยอำเภอสารภีประจำปี 2552-2552 ณ โครงการตลาดกลางสินค้าเกษตร ม.3 ต.บางเม็ง อ. สารภี จ.เชียงใหม่ |
| 3 | สวนเกษตรกรบ้านแม่แฝด จ.เชียงใหม่ |
| 4 | สวนเกษตรกรบ้านแม่ฮอน จ.เชียงใหม่ |
| 5 | สวนเกษตรกรบ้านแม่ฮอง จ.เชียงใหม่ |

3. แปรรวบรวมพันธุ์ขององค์การบริหารตำบลหนองช้างคืน อ. เมือง จ. ลำพูน

นายก อบต. หนองช้างคืน (คุณเกรียงไกร ก้อนแก้ว) ได้ทำหนังสือขอความอนุเคราะห์ต้นกล้าลำไยพันธุ์ต่างๆ ที่รวบรวมไว้ในมหาวิทยาลัย เพื่อนำไปปลูกเป็นแปลงสาธิตลำไยพันธุ์ต่างๆ ในชุมชน โดยทางมหาวิทยาลัย ได้จัดส่งพันธุ์ไปให้ตั้งแต่ ปี 2554 ซึ่งปัจจุบัน ยังไม่ได้ติดตามดูความก้าวหน้า ของแปลงสาธิตดังกล่าว คาดว่าจะดำเนินการแลกเปลี่ยนประสบการณ์ในการดูแลพันธุ์ลำไยต่างๆ กันต่อไป

1.5 เนื้อหาและการออกแบบหนังสือ "ลำไย: พันธุ์และการอนุรักษ์ในมหาวิทยาลัยแม่โจ้"

หนังสือต้นฉบับพันธุ์ลำไย จะกำหนดชื่อเรื่องว่า "ลำไย: พันธุ์และการอนุรักษ์ในมหาวิทยาลัยแม่โจ้" ซึ่งจะแบ่งออกเป็น 3 ส่วนหลักๆ ได้แก่

1. ข้อมูลพันธุ์และลักษณะประจำพันธุ์ลำไย (ตัวอย่างตามภาพที่ 6) พร้อมทั้งมาของชื่อพันธุ์ (สำหรับบางพันธุ์ที่มีการศึกษา
2. วิธีการปรับปรุงพันธุ์และผลที่ได้ (การผสม กู้ผสม และลูกผสมที่ได้รวมทั้งการทดสอบลูกผสม)
3. การอนุรักษ์พันธุ์ (ข้อมูลลำไยต้นประวัติศาสตร์ และ ต้นลำไยดั้งเดิมอื่นๆ ที่น่าสนใจ)



ภาพที่ 6 ตัวอย่างลักษณะประจำพันธุ์ ที่แสดงข้อมูลพร้อมภาพประกอบ ของลำไยพันธุ์ คอ 20
 (ข้อมูลที่เก็บยังไม่สมบูรณ์เรียบร้อยทุกลักษณะ ยังต้องตามเก็บข้อมูลอยู่)

กิจกรรมที่ 2 การผสมพันธุ์ลำไยเพื่อสร้างลูกผสมและการตรวจสอบลูกผสมที่ได้ (ฉันทนา และ แสงทอง)

วิธีการทดลองกิจกรรมที่ 2

1. การผสมพันธุ์ลำไย

วิธีการผสมลำไยมีขั้นตอนดังต่อไปนี้

- การเลือกช่อดอกตัวเมีย ให้เลือกช่อดอกที่มีความสมบูรณ์แข็งแรง และเป็นช่อดอกที่มีดอกตัวเมียบาน โดยเด็ดดอกตัวเมียทิ้งให้เหลือไว้ช่อละ 15-20 ดอก (ภาพที่ 7) ถ้ามีดอกตัวผู้บานพร้อมกันให้เด็ดดอกตัวผู้ทิ้งให้หมด แล้วคลุมด้วยถุงตาข่ายมดปากถุงให้แน่น เพื่อป้องกันการผสมข้ามโดยแมลง



(a)

(b)

ภาพที่ 7 การเตรียมช่อดอกตัวเมีย (a) การเด็ดดอกตัวเมียทิ้ง (b) ช่อดอกตัวเมียที่เตรียมไว้สำหรับการผสมพันธุ์

- การเลือกช่อดอกตัวผู้ เลือกช่อที่มีความแข็งแรงแล้วคลุมด้วยถุงตาข่ายไว้ ทำการเก็บเกสรตัวผู้ที่บานจากต้นในตอนเช้าเวลาประมาณ 07.00-9.00 น. ถ้าดอกตัวผู้ไม่บาน ให้นำไปบ่มด้วยความร้อนจากหลอดไฟขนาด 40 วัตต์ เมื่อละอองเกสรเริ่มแตกก็นำไปใช้ผสมได้

- วิธีการผสมข้าม ทำโดยนำละอองเกสรตัวผู้ที่แตกแล้วไปแตะบนยอดเกสรตัวเมีย (ภาพที่ 8) ซึ่งเกสรตัวเมียที่พร้อมจะได้รับการผสมจะมีน้ำหวานเหนียวๆ ไหลออกมาริเวณฐานรองดอก

- เมื่อผสมเกสรเสร็จแล้ว ให้ใช้ถุงตาข่ายคลุมไว้เหมือนเดิม มดปากถุงให้แน่น พร้อมกับเขียนป้าย โดยระบุชื่อพ่อและแม่พันธุ์ วันที่ผสม

- หลังจากทำการผสมครบ 1 เดือน ให้นำถุงตาข่ายออก เมื่อลูกผสมมีอายุครบ 4 เดือน สามารถเก็บเมล็ดไปเพาะได้



ภาพที่ 8 การผสมพันธุ์ลำไย (a) เกสรตัวผู้ที่ใช้ในการผสมพันธุ์ (b) การนำละอองเกสรตัวผู้มาผสมบนยอดเกสรตัวเมียโดยใช้พู่กัน

2. การจำแนกลูกผสมลำไยโดยใช้วิธีเครื่องหมายโมเลกุล

เริ่มจากการเพาะเมล็ดลำไยลูกผสม โดยการผสมลำไยจนมีอายุครบ 4 เดือน แล้วจึงเก็บเมล็ดลำไยมาเพาะในกระถางขนาด 4 นิ้วในวัสดุเพาะ คือ ทรายและขี้เถ้าแกลบ ในอัตราส่วน 1:1 เมื่อลำไยลูกผสมอายุครบ 1 เดือน หรือมีใบเกิดขึ้น อย่างน้อย 4 ใบ (ภาพที่ 9) จึงทำการเก็บใบอ่อนมาสกัดดีเอ็นเอ หลังจากสกัด ดีเอ็นเอ แล้วจึงจะนำไปเพิ่มปริมาณ โดยเทคนิค PCR และสุดท้ายวิเคราะห์ผล PCR โดยวิธีอิเล็กโตรโฟรีซิส (ภาคผนวก)



ภาพที่ 9 ลำไยลูกผสมที่นำมาเพาะ

ผลการทดลองและวิจารณ์ผล กิจกรรมที่ 2

1. การผสมพันธุ์ลำไยเพื่อสร้างลูกผสม

ในปี 2555 สามารถผสมพันธุ์ลำไยได้ทั้งหมด 16 คู่ผสม มีจำนวนเมล็ดที่ผสมทั้งหมด 148 เมล็ด และในปี 2556 สามารถผสมลำไยสามารถผสมพันธุ์ลำไยได้เพิ่มอีก 5 คู่ผสม ได้แก่ กรอบกะทิ x ดอกก้านแข็ง, แห้ว x อีตอ, พวงทอง x บ้านโฮ้ง 60, สีส้มพู x แห้ว และสีชมพู x ดอกก้านแข็ง มีจำนวนเมล็ดที่ผสมทั้งหมด 16 เมล็ด ซึ่งได้จำนวนคู่ผสมน้อยกว่าปี 2555 เนื่องจากในแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยไม่ได้ราดสารโพแทสเซียมคลอไรด์ แต่ราดสารโพแทสเซียมคลอไรด์เฉพาะลำไยที่รวบรวมพันธุ์ไว้ในกระถางเท่านั้น ซึ่งทำการราดสารโพแทสเซียมคลอไรด์ในเดือนตุลาคม ทำให้ลำไยออกดอกในสภาพอากาศที่หนาวจัด เมื่อทำการผสมพันธุ์ลำไยมีการผสมติดน้อยมาก เมื่อนำเกสรตัวผู้ไปย้อมสีเพื่อตรวจดูความมีชีวิต หากเกสรตัวผู้มีชีวิตจะย้อมติดสีเป็นสีน้ำตาลเข้ม แต่ถ้าติดเป็นสีเหลืองแสดงว่าไม่มีชีวิต พบว่า เกสรตัวผู้มีสีดำน้อยมาก แสดงว่ามีชีวิตในอัตราต่ำมาก (ภาพที่ 10) ซึ่งเป็นสาเหตุลำไยติดผลได้น้อย



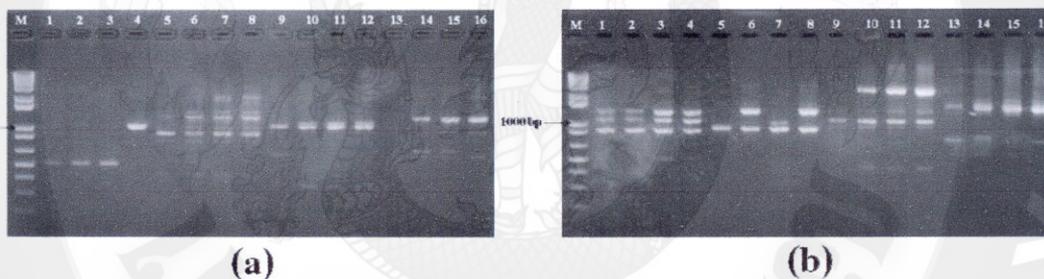
ภาพที่ 10 การย้อมละอองเกสรตัวผู้

2. การคัดเลือกลำไยลูกผสมด้วยเครื่องหมายโมเลกุล

2.1 การคัดเลือกลำไยลูกผสมด้วยเครื่องหมายโมเลกุลชนิด RAPD ทำการทดสอบลูกผสมจำนวนรวม 5 คู่ผสม ได้แก่

2.1.1. คู่ผสมของพันธุ์ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง)

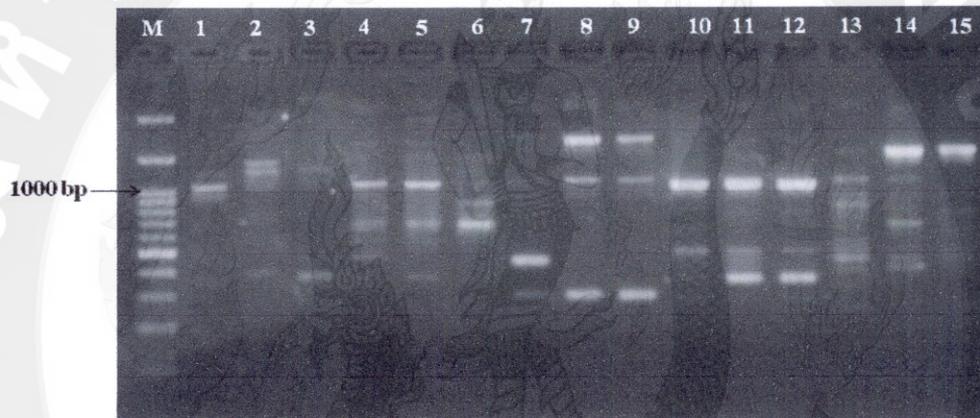
จากการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของลำไยพันธุ์แม่ คือ พันธุ์กรอบกะทิ ลำไยพันธุ์พ่อ คือ คอก้านแข็ง และลูกผสมจำนวน 2 รุ่น ได้แก่ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1 -1 และ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1 -2 โดยใช้ไพรเมอร์ชนิด RAPD ที่คัดเลือก ได้แก่ A07, A13, A18, B01, B10, B11, B17 และ B18 พบว่า ไพรเมอร์ A07, A13, B10 และ B18 ไม่สามารถใช้ในการจำแนกลูกผสมได้เนื่องจากลำไยพันธุ์แม่และพ่อเกิดแถบดีเอ็นเอขนาดเท่ากัน หรือเกิดแถบดีเอ็นเอหลายแถบที่เหมือนกัน โดยที่ไพรเมอร์ A18, B01, B11 และ B17 สามารถจำแนกความเป็นลูกผสมได้ เนื่องจากลำไยพันธุ์แม่และพ่อดีเอ็นเอที่แตกต่างกัน และลูกผสมให้แถบดีเอ็นเอเหมือนลำไยพันธุ์พ่อ หรือแตกต่างจากพันธุ์แม่และพ่อ (ภาพที่ 11)



ภาพที่ 11 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของ (a) ไพรเมอร์ A07 (ช่อง 1-4), A13 (ช่อง 5-8), A18 (ช่อง 9-12) และ B01 (ช่อง 13-16) ของคู่ผสมพันธุ์ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) โดยที่ช่อง M คือ 1kb Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่องที่ 1, 5, 9 และ 13 คือกรอบกะทิ ช่องที่ 2, 6, 10 และ 14 คือคอก้านแข็ง ช่องที่ 3, 7, 11 และ 15 คือ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1 -1 ช่องที่ 4, 8, 12 และ 16 คือ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1 -2 (b) ไพรเมอร์ B10 (ช่อง 1-4), B11 (ช่อง 5-8), B17 (ช่อง 9-12) และ B18 (ช่อง 13-16) ของคู่ผสม พันธุ์ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) โดยที่ช่อง M คือ 1kb Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่องที่ 1, 5, 9 และ 13 คือ กรอบกะทิ ช่องที่ 2, 6, 10 และ 14 คือ คอก้านแข็ง ช่องที่ 3, 7, 11 และ 15 คือ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1 -1 ช่องที่ 4, 8, 12 และ 16 คือ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1 -2

2.1.2. กลุ่มสมของพันธุ์ (เบ็ยวเจ็ยวเจ็ยงใหม่ x คอگانแจ็ยง)

จากการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของลำไยพันธุ์แม่ คือ พันธุ์เบ็ยวเจ็ยวเจ็ยงใหม่ ลำไยพันธุ์พ่อ คือ พันธุ์คอگانแจ็ยง และลูกผสม (เบ็ยวเจ็ยวเจ็ยงใหม่ x คอگانแจ็ยง) F_1-3 โดยใช้ไพรเมอร์ชนิด RAPD ที่คัดเลือก ได้แก่ A12, A14, A15, A18 และ A19 พบว่า ไพรเมอร์ทั้ง 5 ไพรเมอร์ แสดงความแตกต่างระหว่างลำไยพันธุ์แม่และพ่อ โดยที่ลูกผสมให้แถบดีเอ็นเอเหมือนลำไยพันธุ์พ่อในไพรเมอร์ A15 และ A18 และให้แถบดีเอ็นเอที่แตกต่างไปจากพันธุ์พ่อหรือแม่ในไพรเมอร์ A12, A14 และ A19 (ภาพที่ 12)

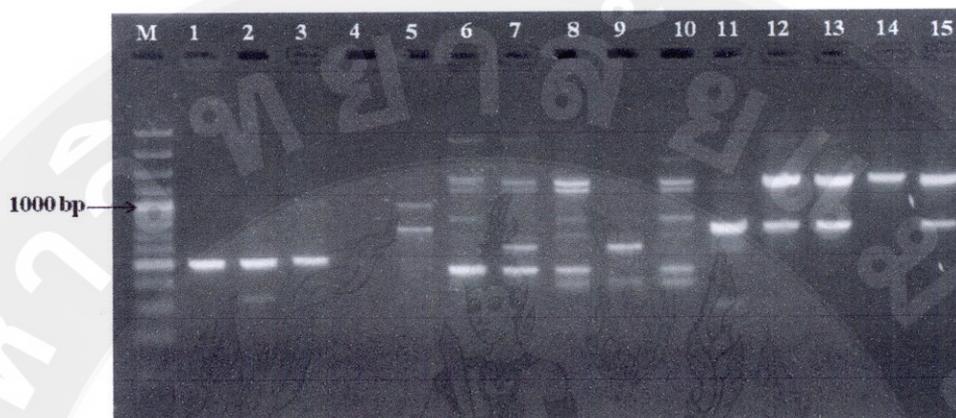


ภาพที่ 12 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ A12 (ช่อง 1-3), A14 (ช่อง 4-6), A15 (ช่อง 7-9), A18 (ช่อง 10-12) และ A19 (ช่อง 13-15) ของกลุ่มสมพันธุ์ (เบ็ยวเจ็ยวเจ็ยงใหม่ x คอگانแจ็ยง) โดยที่ ช่อง M คือ 100 bp DNA Ladder H3 RTU (GeneDirex) ช่องที่ 1, 4, 7, 10 และ 13 คือเบ็ยวเจ็ยวเจ็ยงใหม่ ช่องที่ 2, 5, 8, 11 และ 14 คือ คอگانแจ็ยง ช่องที่ 3, 6, 9, 12 และ 15 คือ (เบ็ยวเจ็ยวเจ็ยงใหม่ x คอگانแจ็ยง) F_1-3

2.1.3. กลุ่มสมของพันธุ์ (คอ 27 x สีชมพู)

จากการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของลำไยพันธุ์แม่ คือ พันธุ์คอ 27 ลำไยพันธุ์พ่อ คือสีชมพู ลูกผสมจำนวน 3 ต้น ได้แก่ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-1 (คอ 27 x สีชมพู) F_1-3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-4 โดยใช้ไพรเมอร์ชนิด RAPD ได้แก่ A07, N04 และ I14 พบว่า ไพรเมอร์ A07 ไม่สามารถใช้จำแนก ลูกผสมได้เนื่องจากแถบดีเอ็นเอของลำไยพันธุ์แม่และพ่มีขนาดเท่ากัน ส่วนไพรเมอร์ N04 และ I14 สามารถจำแนกดีเอ็นเอลำไยของพันธุ์แม่พันธุ์พ่อและลูกผสมได้ โดยผลการคัดเลือกลูกผสม ด้วยไพรเมอร์ N04 แสดงแถบดีเอ็นเอแตกต่างจากจากพันธุ์แม่และพันธุ์พ่อทั้ง 3 ต้น ส่วนไพรเมอร์

I14 นั้น ลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1 -1 และ (คอ 27 x สีชมพู) F_1 -4 ให้แถบดีเอ็นเอเหมือนพันธุ์พ่อ และ ลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1 -3 ให้แถบดีเอ็นเอไม่เหมือนทั้งพันธุ์แม่และพันธุ์พ่อ (ภาพที่ 13)



ภาพที่ 13 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ A07 (ช่อง 1-5), N04 (ช่อง 6-10) และ I14 (ช่อง 11-5) ของกลุ่มผสมของพันธุ์ (คอ 27 x สีชมพู) โดยที่ ช่อง M คือ GeneRuler™ 100 bp Plus DNA Ladder (Fermentus) ช่องที่ 1, 6 และ 11 คือ คอ 27 ช่องที่ 2, 7 และ 12 คือ สีชมพู ช่องที่ 3, 8 และ 13 คือ (คอ 27 x สีชมพู) F_1 -1 ช่องที่ 4, 9 และ 14 คือ (คอ 27 x สีชมพู) F_1 -3 ช่องที่ 5, 10 และ 15 คือ (คอ 27 x สีชมพู) F_1 -4 ตามลำดับ

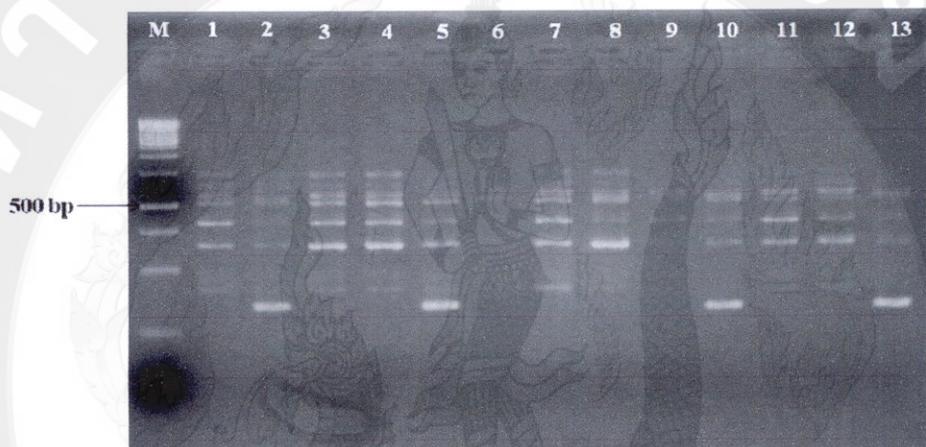
2.1.4. กลุ่มผสมของพันธุ์ (สีชมพู x คอก้านแข็ง)

จากการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของลำไยพันธุ์แม่ คือ พันธุ์สีชมพู ลำไยพันธุ์พ่อ คือ คอก้านแข็ง ลูกผสมจำนวน 7 ต้น ได้แก่ (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1 -1, (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1 -2, (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1 -4, (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1 -5 (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1 -6, (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1 -7 และ (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1 -8 โดยใช้ไพรเมอร์ชนิด RAPD ได้แก่ ไพรเมอร์ N08 พบว่า ลูกผสม 1 ต้น มีแถบดีเอ็นเอเหมือนพ่อ ส่วนที่เหลือมีแถบดีเอ็นเอเหมือนแม่ ยกเว้นลูกผสม (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1 -5 ไม่สามารถเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอได้ (ภาพที่ 14)

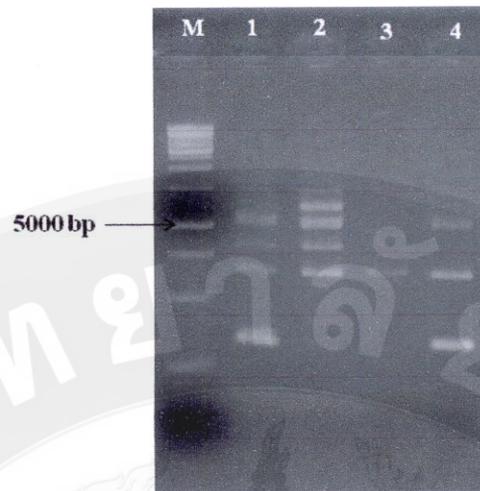
2.1.5. กลุ่มผสมของพันธุ์ (คอก้านแข็ง x สีชมพู)

จากการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของลำไยพันธุ์แม่ คือ พันธุ์คอก้านแข็ง ลำไยพันธุ์พ่อ คือ สีชมพู ลูกผสมจำนวน 4 ต้น ได้แก่ (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F_1 -1, (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F_1 -3, (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F_1 -4 และ (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F_1 -5 โดยใช้ไพรเมอร์ชนิด RAPD

ได้แก่ ไพรเมอร์ N08 พบว่า (ดอกก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-1 มีแถบดีเอ็นเอเหมือนพ่อ ส่วน(ดอกก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8)F₁-3 และ (ดอกก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-5 มีแถบดีเอ็นเอเหมือนแม่ ในขณะที่ (ดอกก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-4 มีแถบดีเอ็นเอเกิดขึ้น 1 แถบ ซึ่งขนาดเท่ากับพันธุ้แม่และพ่อ (ภาพ 8 และ 9)เมื่อเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของลำไยโดยใช้ไพรเมอร์ N04 พบว่า (ดอกก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12)F₁-5 มีแถบดีเอ็นเอเหมือนพ่อ ส่วน (ดอกก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-3 และ (ดอกก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-5 มีแถบดีเอ็นเอเหมือนแม่ ในขณะที่ (ดอกก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-4 มีแถบดีเอ็นเอเกิดขึ้น 1 แถบ ซึ่งขนาดเท่ากับพันธุ้แม่และพ่อ (ภาพที่ 16)



ภาพที่ 14 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ N08 โดยที่ ช่อง M คือ GeneRuler™ 100 bp Plus DNA Ladder (Fermentus) ช่องที่ 1-13 คือ พันธุ์สีชมพู ดอกก้านแข็ง (สีชมพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8) F₁-1, (สีชมพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8) F₁-2, (สีชมพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8) F₁-4, (สีชมพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8)F₁-5 (สีชมพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8)F₁-6, (สีชมพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8)F₁-7 (สีชมพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8) F₁-, ดอกก้านแข็ง-8, สีชมพู-8 (ดอกก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-1 และ (ดอกก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-3 ตามลำดับ



ภาพที่ 15 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไฟรเมอร์ N08 โดยที่ ช่อง M คือ GeneRuler™ 100 bp Plus DNA Ladder (Fermentus) ช่องที่ 1-4 คือ คอก้านแข็ง-8, สีชมพู-8, (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-4 และ (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-5 ตามลำดับ



ภาพที่ 16 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไฟรเมอร์ N04 โดยที่ ช่อง M คือ GeneRuler™ 100 bp Plus DNA Ladder (Fermentus) ช่องที่ 1-8 คือ คอก้านแข็ง-8, สีชมพู-8 (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-1, (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-3, คอก้านแข็ง-8, สีชมพู-8, (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-4 และ (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-5 ตามลำดับ

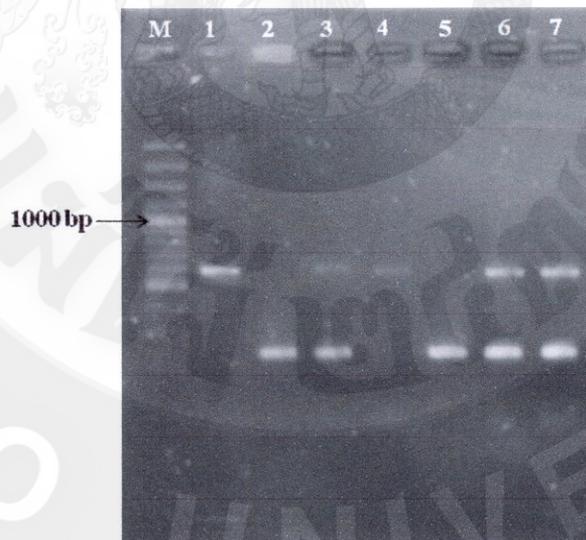
2.2 การคัดเลือกลำดับลูกผสมด้วยเครื่องหมายโมเลกุลชนิด SCAR ทำการทดสอบรวม
 คู่ผสม ได้แก่

2.2.1. คู่ผสมของพันธุ์ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง)

นำไพรเมอร์ L2_2 ที่พัฒนาได้มาทดสอบลูกผสมพบว่า ลำไยพันธุ์แม่ คือพันธุ์กรอบกะทิ มี
 แถบดีเอ็นเอขนาด 600 คู่เบส ลำไยพันธุ์พ่อ คือพันธุ์คอก้านแข็ง มีแถบดีเอ็นเอขนาดประมาณ 250 คู่
 เบส เมื่อนำมาใช้ในการจำแนกลูกผสม (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1-1 และ (กรอบกะทิ x คอก้าน
 แข็ง) F_1-2 พบว่า ลูกผสมทั้ง 2 ต้น มีแถบดีเอ็นเอเหมือนกับพันธุ์แม่และพ่อ คือ มีแถบดีเอ็นเอขนาด
 600 และ 250 คู่เบส (ภาพที่ 17)

2.2.2. คู่ผสมของพันธุ์ (เบ็ยวเขียวเชียงใหม่ x คอก้านแข็ง)

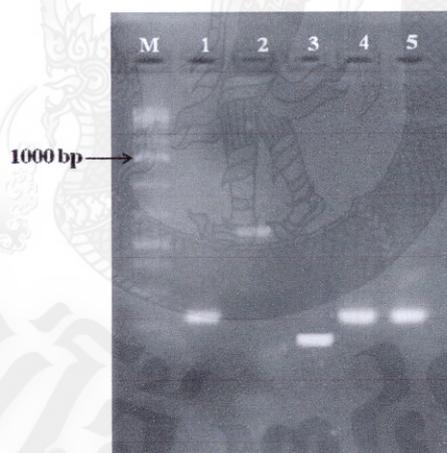
นำไพรเมอร์ L2_2 มาทดสอบลูกผสมพบว่า ลำไยพันธุ์แม่ คือพันธุ์เบ็ยวเขียว-เชียงใหม่ มี
 แถบดีเอ็นเอขนาด 600 คู่เบส ลำไยพันธุ์พ่อ คือพันธุ์คอก้านแข็ง มีแถบดีเอ็นเอขนาดประมาณ 250 คู่
 เบส เมื่อนำมาใช้ในการจำแนกลูกผสม (เบ็ยวเขียวเชียงใหม่ x คอก้านแข็ง) F_1-3 พบว่า ต้น มีแถบดี
 เอ็นเอเหมือนกับพันธุ์แม่และพ่อ คือ มีแถบดีเอ็นเอขนาด 600 และ 250 คู่เบส (ภาพที่ 17)



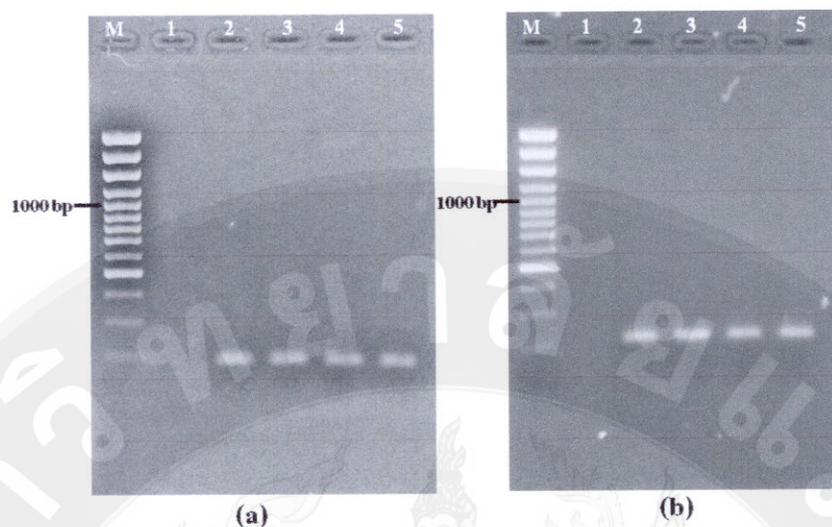
ภาพที่ 17 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ L2_2 โดยที่ ช่อง M คือ 100 bp Plus DNA
 Ladder (Invitrogen) ช่องที่ 1-7 คือ เบ็ยวเขียวเชียงใหม่ คอก้านแข็ง ลูกผสม (เบ็ยวเขียว-
 เชียงใหม่ x คอก้านแข็ง) F_1-3 กรอบกะทิ คอก้านแข็ง ลูกผสม (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1-1
 และ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F_1-2 ตามลำดับ

2.2.3. กลุ่มสมของพันธุ์ (คอ 27 x สีชมพู)

เมื่อนำไพรเมอร์ L2_2, L7_1 และ L8_1 ที่ออกแบบได้มาทดสอบคัดเลือกลูกผสมพบว่า ไพรเมอร์ L2_2 นั้น ลำไยพันธุ์แม่ คือพันธุ์คอ 27 มีแถบดีเอ็นเอขนาด 250 คู่เบส ลำไยพันธุ์พ่อ คือพันธุ์สีชมพู มีแถบดีเอ็นเอขนาดประมาณ 600 คู่เบส เมื่อนำมาใช้ในการจำแนกลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1-1 (คอ 27 x สีชมพู) F_1-3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-4 พบว่า ลูกผสมทั้ง 2 ต้น คือ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-4 มีแถบดีเอ็นเอเหมือนกับพันธุ์แม่ คือ มีแถบดีเอ็นเอขนาด 250 คู่เบส ในขณะที่ลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1-1 มีแถบดีเอ็นเอต่างจากพันธุ์แม่และพ่อ (ภาพที่ 18) ส่วนไพรเมอร์ L7_1 และ L8_1 ให้แถบดีเอ็นเอขนาดประมาณ 200 คู่เบส และ 250 คู่เบส ตามลำดับ จากลำไยสีชมพูเท่านั้น ส่วนคอ 27 นั้นจะไม่พบแถบดีเอ็นเอ เมื่อนำมาใช้ในการจำแนกลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1-1 (คอ 27 x สีชมพู) F_1-3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-4 พบว่า ลูกผสมทั้ง 3 ต้นเกิดแถบดีเอ็นเอเหมือนพันธุ์พ่อ คือ พันธุ์สีชมพู ทั้ง 2 ไพรเมอร์ (ภาพที่ 19)

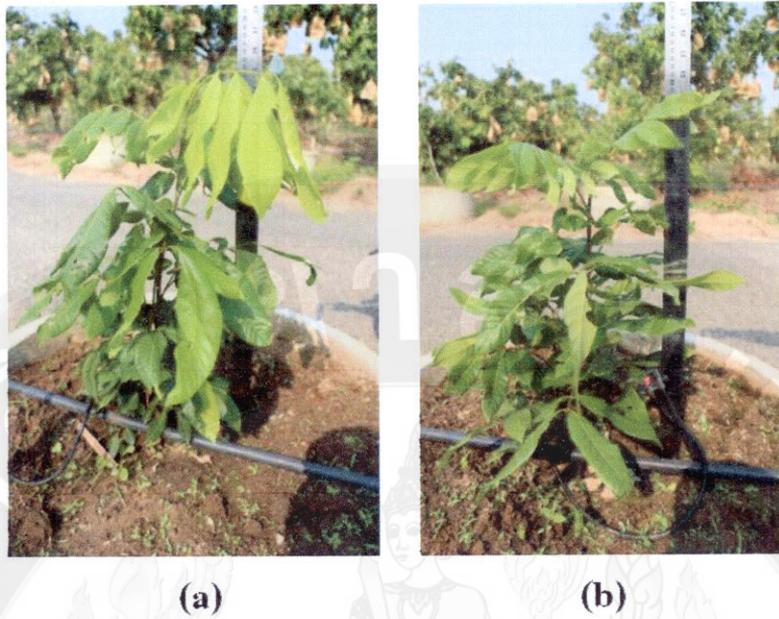


ภาพที่ 18 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ L2_2 โดยที่ ช่อง M คือ 100 bp Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่อง 1 และ 2 คือ คอ 27 (ต้นแม่) และสีชมพู (ต้นพ่อ) ส่วนช่อง 3 -5 คือ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-1 (คอ 27 x สีชมพู) F_1-3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-4 ตามลำดับ



ภาพที่ 19 ผลการทำ 1.5% อะกาโรสเจล ของไพรเมอร์ L7_1 (a) ไพรเมอร์ L8_1 (b) โดยที่ ช่อง M คือ 100 bp Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่อง 1 และ 2 คือ คอ 27 (ต้นแม่) และสีชมพู (ต้นพ่อ) ส่วนช่อง 3-5 คือ (คอ 27 x สีชมพู) F₁-1 (คอ 27 x สีชมพู) F₁-3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F₁-4 ตามลำดับ

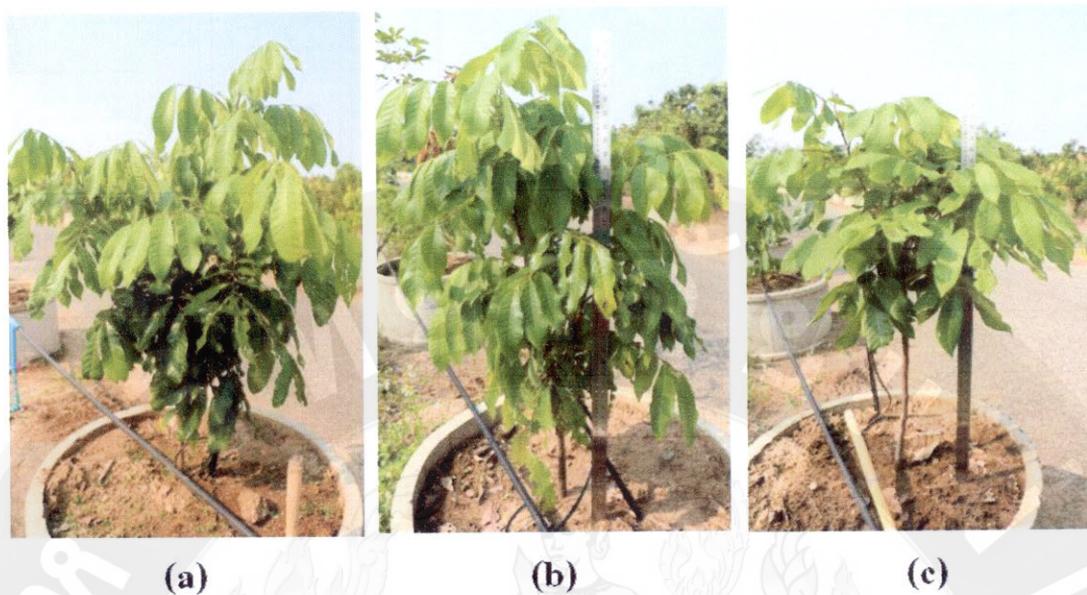
จากการคัดเลือกลูกผสมด้วยเครื่องหมายโมเลกุลของกลุ่มผสม 5 คู่ จาก (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง เบี้ยวเขียวเชียงใหม่ x คอก้านแข็ง, คอ 27 x สีชมพู, สีชมพู x คอก้านแข็ง และคอก้านแข็ง สีชมพู จำนวน 17 ต้น พบว่า ลูกผสมทั้งหมดสามารถพิสูจน์ได้ว่าเป็นลูกผสมจริงจำนวน 9 ต้น ได้แก่ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F₁-1, (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) F₁-2 (ภาพที่ 20) (เบี้ยวเขียวเชียงใหม่ x คอก้าน-แข็ง) F₁-3 (ภาพที่ 15) (คอ 27 x สีชมพู) F₁-1 (คอ 27 x สีชมพู) F₁-3 และ (คอ 27 x สีชมพู) F₁-4 (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F₁-4 (ภาพที่ 22) (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-1 และ (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-5 (ภาพที่ 23) ซึ่งการคัดเลือกลำไยลูกผสมด้วยเครื่องหมายโมเลกุลชนิด RAPD พบว่าสอดคล้องกับการศึกษาของ Sitthiphom *et. al.* (2005) ที่ใช้เทคนิค HAT-RAPD ที่พบว่า ในการจำแนกลูกผสมลำไย กลุ่มผสมระหว่าง คอ x เบี้ยวเขียว กลุ่มผสมระหว่าง คอ x ใบบดำ และใบบดำ x เบี้ยวเขียว นั้น แลบดีเอ็นเอของลูกผสมสามารถเกิดแลบดีเอ็นเอได้ 3 แบบ คือ แลบดีเอ็นเอเหมือนแม่ แลบดีเอ็นเอเหมือนพ่อ และแลบดีเอ็นเอที่ต่างจากพ่อและแม่ อาจเกิดเนื่องจากการผสมข้ามพันธุ์ ทำให้มีชิ้นส่วนดีเอ็นเอขนาดเล็กสอดแทรกเข้ามาหรือหายไป ในบริเวณเดิมที่ไพรเมอร์เคยจับได้ ทำให้ขนาดของแลบดีเอ็นเอที่เกิดขึ้นเปลี่ยนแปลงไป (สุรินทร์, 2552)



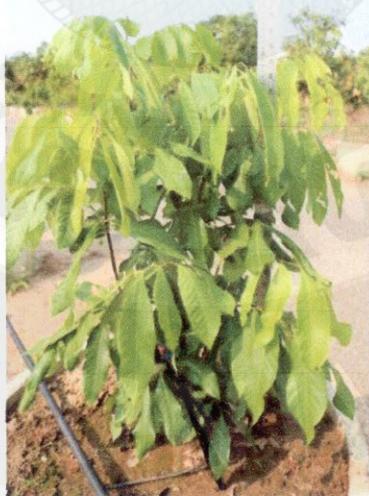
ภาพที่ 20 ลำโหลกผสม (กรอบกะทิ x ดอก้านแข็ง) F₁-1 (a) และ (กรอบกะทิ x ดอก้านแข็ง) F₁-2 (b) ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล



ภาพที่ 21 ลำโหลกผสม (เบี้ยวเขียวเชียงใหม่ x ดอก้าน-แข็ง) F₁-3 ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล



ภาพที่ 22 ลำใยลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F₁-1 (a), (คอ 27 x สีชมพู) F₁-3 (b) และ (คอ 27 x สีชมพู) F₁-4 (c) ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล



ภาพที่ 23 ลำใยลูกผสม (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F₁-4 ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล



(a)

(b)

ภาพที่ 24 ลำไยลูกผสม (ดอกก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F₁-1 (a) และ (ดอกก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F₁-5 (b) ที่คัดเลือกด้วยเครื่องหมายโมเลกุล

กิจกรรมที่ 3 การศึกษาวิธีการย่นระยะการทดสอบลูกผสม (จิรนนท์ และคณะ) แยกเป็น 6 การทดลองย่อยดังนี้

อุปกรณ์และวิธีการทดลอง กิจกรรมที่ 3

การทดลองที่ 3.1 การศึกษาวิธีการเปลี่ยนยอดต้นกล้าลำไยอายุต่างๆ

วางแผนการทดลองแบบ CRD (Completely Randomized Design) มี 4 ซ้ำๆ ละ 5 ต้น การทดลองนี้ศึกษาการเปลี่ยนยอดต้นกล้าลำไยที่อายุต่างๆกัน โดยที่ทำการต่อกิ่งบนต้นต่อลำไยต้นเล็กอายุต้นต่อกับอายุยอดต้นกล้า ทำการเปลี่ยนยอดลำไยอายุต่างๆ โดยวิธีการเสียบลิ่ม แล้วนำไปใส่ถุงอบนาน 45 วัน จึงเปิดถุงอบเพื่อดูจำนวนต้นที่เสียบติด กำหนดให้มี 3 กรรมวิธี ดังนี้ คือ

กรรมวิธีที่ 1 อายุยอดต้นกล้า 6 เดือนหลังเพาะเมล็ด

กรรมวิธีที่ 2 อายุยอดต้นกล้า 8 เดือนหลังเพาะเมล็ด

กรรมวิธีที่ 3 อายุยอดต้นกล้า 12 เดือนหลังเพาะเมล็ด

การบันทึกข้อมูล ภายหลังจากการเสียบยอด ทำการบันทึกข้อมูลเปอร์เซ็นต์การเสียบติด และหลังจากนั้นนำต้นกล้าที่ต่อกิ่งด้วยวิธีเสียบลิ่มมาทำการศึกษาการเจริญเติบโต โดยบันทึกข้อมูล

ดังนี้ คือ ความสูงของต้น เส้นผ่าศูนย์กลางลำต้นเปอร์เซ็นต์การผลิใบ จำนวนครั้งการผลิใบอ่อน ความยาวยอดและ เส้นผ่าศูนย์กลางยอดใหม่เพื่อหาวิธีขึ้นระยะเวลาการออกดอกติดผลของต้นกล้า ถูกผสมต่อไป

การทดลองที่ 3.2 ศึกษาการผ่านระยะเขาวัววัยของต้นกล้าลำไย

งานทดลองนี้เป็นงานทดลองที่พิสูจน์ว่าต้นกล้าลำไยไม่ออกดอกเมื่อชักนำการออกดอกด้วยสารโพแทสเซียมคลอไรด์ สาเหตุน่าจะเกิดจาก ต้นกล้ามี ระยะเขาวัววัย (juveniles) จึงนำยอดต้นกล้าลำไยที่ได้จากการเพาะเมล็ด และยอดที่ได้จากกิ่งตอนอายุ 5 ปีที่ให้ผลผลิตแล้วมาเทียบบนต้นตอต้นเดียวกัน โดยทำการวางแผนแบบ RCBD (Randomized Completely Block Design) มี 8 ซ้ำๆ ละ 1 ต้น เปลี่ยนยอดวันที่ 28 ก.ค. 56 ใช้ต้นตออายุ 2 ปี แล้วนำยอดลำไยระยะต้นกล้า (อายุ 1 ปี) และยอดต้นลำไยอายุ 5 ปีอายุยอด 45 วันหลังแตกใบ มาเปลี่ยนบนต้นตออายุ 2 ปี โดยเปลี่ยนบนต้นเดียวกัน โดยวิธีเทียบลิ้ม นำเข้าถุงพลาสติกอบนาน 45 วัน หลังจากนั้นนำมาเปลี่ยนในกระถางใหญ่ หลังจากผลิใบ 2 ชุด ให้สารโพแทสเซียมคลอไรด์อัตรา 1 กรัมต่อต้นเพื่อชักนำการออกดอก

กรรมวิธีที่ 1 การเปลี่ยนยอดต้นกล้าอายุ 1 ปี

กรรมวิธีที่ 2 ยอดต้นลำไยอายุ 5 ปี

การบันทึกข้อมูล ดำเนินการหลังการเทียบยอด โดยบันทึกข้อมูลดังนี้ เปอร์เซ็นต์การเทียบติด เปอร์เซ็นต์การผลิใบ จำนวนครั้งการผลิใบอ่อน ความยาวยอด เส้นผ่าศูนย์กลางยอดใหม่หลังจากเทียบกิ่งแล้ว จะปล่อยให้ดอกออกตามธรรมชาติ และชักนำการออกดอกด้วยสารโพแทสเซียมคลอไรด์

การทดลองที่ 3.3 การศึกษาการชักนำการออกดอกด้วยสารโพแทสเซียมคลอไรด์กับต้นกล้าลำไย

อายุต่างๆ

วางแผนการทดลองแบบ Completely Randomized Design (CRD) มี 10 ซ้ำๆ ละ 1 ต้น ประกอบด้วย

กรรมวิธีที่ 1 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 12 เดือนหลังเพาะเมล็ด

กรรมวิธีที่ 2 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 18 เดือนหลังเพาะเมล็ด

กรรมวิธีที่ 3 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 24 เดือนหลังเพาะเมล็ด

กรรมวิธีที่ 4 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 30 เดือนหลังเพาะเมล็ด

กรรมวิธีที่ 5 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 36 เดือนหลังเพาะเมล็ด

การบันทึกการออกดอกหลังจากได้รับสาร โฟแทสเซียมคลอไรด์ (หรือออกดอกตามธรรมชาติของชุดควบคุม) ความสมบูรณ์ของช่อดอกและจำนวนและสัดส่วนเพศดอก

การทดลองที่ 3.4 การศึกษาการให้สารพาโคบิวทราโซลร่วมกับสาร โฟแทสเซียมคลอไรด์กับต้นกล้าลำไย

วางแผนการทดลองแบบ Completely Randomized Design (CRD) มี 10 ซ้ำๆ ละ 1 ต้น ประกอบด้วย

กรรมวิธีที่ 1 ให้สาร โฟแทสเซียมคลอไรด์อัตรา 1 กรัมต่อต้น

กรรมวิธีที่ 2 ให้สารพาโคบิวทราโซลอัตรา 0.5 กรัมต่อต้น 15 วัน ก่อนให้สาร โฟแทสเซียมคลอไรด์

โดยใช้ต้นกล้าลำไยอายุ 2 ปี ซึ่งมีรายงานว่าสามารถออกดอกได้ โดยการรดสารพาโคบิวทราโซลก่อนการชักนำการออกดอกด้วยสาร โฟแทสเซียมคลอไรด์ การบันทึกข้อมูลหลังจากได้รับสาร โฟแทสเซียมคลอไรด์ (หรือออกดอกตามธรรมชาติของชุดควบคุม) ความสมบูรณ์ของช่อดอกและจำนวนและสัดส่วนเพศดอก ซึ่งสิ่งทดลองและลักษณะการเก็บข้อมูลสามารถปรับปรุงได้ตามความเหมาะสม

การทดลองที่ 3.5 ศึกษาการแตกกิ่งของต้นกล้าลำไย

การศึกษานี้เพื่อเป็นการกระตุ้นให้ต้นลำไยมีการผลิใบอ่อน ได้เร็วขึ้นและมากขึ้น เป็นการเร่งการเจริญเติบโตของต้นกล้า นำต้นลำไยเพาะกล้าใส่ในกระถางขนาด 7 นิ้ว อายุ 1 ปี วางแผนการทดลองแบบ Completely Randomized Design (CRD) มี 5 ซ้ำๆ ละ 1 ต้น ประกอบด้วย

กรรมวิธีที่ 1 ไม่ตัดยอด

กรรมวิธีที่ 2 เค็ดเฉพาะปลายยอด

กรรมวิธีที่ 3 ตัดปลายยอดลงมาประมาณ 15 ซม.

หลังจากนั้นทำการตัดยอด วันที่ 5 มิ.ย. 56 บันทึกข้อมูล ความสูงต้น (เซนติเมตร) ความกว้างทรงพุ่ม (เซนติเมตร) เส้นผ่าศูนย์กลางลำต้น (เซนติเมตร) ก่อนการศึกษา หลังจากนั้นบันทึกการผลิใบอ่อน หลังตัด 45 วันหลังผลิใบ โดยวัดจำนวนยอดต่อต้น ความยาวยอด เส้นผ่าศูนย์กลางยอด

การทดลองที่ 3.6 การศึกษาการนำยอดลูกผสมอายุ 1 ปี ต่อกิ่งบนต้นใหญ่ที่ให้ผลผลิตแล้ว

การศึกษานี้เพื่อเป็นการย่นระยะเวลาการออกดอกติดผลของลำไยที่ได้จากการเพาะเมล็ดให้ออกดอกติดผลเร็วยิ่งขึ้น โดยมีขั้นตอนและวิธีการดังนี้

1. ใช้ยอดลูกผสมอายุ 1 ปี ที่ใบอยู่ในระยะใบแก่อายุใบประมาณ 45 วัน
2. เตรียมต้นตอซึ่งเป็นกิ่งตอนปลูกในกระถางพลาสติกขนาด 15 นิ้ว เลี้ยงให้ต้นมีความสมบูรณ์
3. นำยอดลำไยลูกผสมเปลี่ยนบนลำไยที่ให้ผลผลิตแล้ว โดยวิธีเสียบลิ้มบนต้นใหญ่หรือเรียกว่า Top Working
4. นำต้นลำไยที่เสียบกิ่งใส่ถุงอบนานอย่างน้อย 45 วัน
5. หลังจากนั้นจึงเปิดถุงอบแล้วนำต้นลำไยออกจากถุงอบเลี้ยงให้ยอดผลิใบประมาณ 2 ชุดคาดว่าจะให้สารปลายเดือนเมษายน 2557



ภาพที่ 25 ระยะใบต้นกล้าลูกผสม



ภาพที่ 26 การเปลี่ยนยอดลำไยลูกผสม



ภาพที่ 27 นำเข้าถุงอบประมาณ 45 วัน

ผลการทดลองกิจกรรมที่ 3

3.1 การศึกษาวิธีการเปลี่ยนยอดต้นกล้าลำไยอายุต่างๆ

การศึกษาครั้งนี้เป็นการศึกษาต่อเนื่องจาก ปี 2555 ได้รายงานพบว่า การเสียบยอดต้นกล้าลำไยบนตอต่อพันธุ์อีคอปพบว่า มีเปอร์เซ็นต์การเสียบติดและเปอร์เซ็นต์การผลิใบไม่แตกต่างกันทางสถิติ โดยมีเปอร์เซ็นต์การเสียบติดและเปอร์เซ็นต์การผลิใบได้ 100 เปอร์เซ็นต์ ส่วนจำนวนวันที่ใช้ในการผลิใบอยู่ในช่วง 50.72-56.75 วัน ในขณะที่ขนาดของยอดใหม่ ทั้งความยาวยอดและเส้นผ่าศูนย์กลางยอดใหม่ไม่แตกต่างกันเช่นเดียวกัน (ตารางที่ 4) ส่วนในปี 2556 ได้มีการชักนำการออกดอกด้วยสารโพแทสเซียมคลอไรด์ อัตรา 1 กรัมต่อต้น พบว่า ลำไยที่เปลี่ยนยอดอายุต่างๆ ไม่มี การออกดอกในทุกกรรมวิธี (ตารางที่ 5)

ตารางที่ 4 ผลของการต่อกิ่งอายุต้นกล้าต่างๆกันบนต้นลำไยต้นใหญ่พันธุ์อีคอป

| อายุยอดต้นกล้า | การเสียบติด (%) | การผลิใบ (%) | จำนวนวันที่ใช้ในการผลิใบ (วัน) | ขนาดยอดใหม่(ซม.) | |
|----------------|-----------------|--------------|--------------------------------|------------------|---------------------|
| | | | | ความยาวยอด | เส้นผ่าศูนย์กลางยอด |
| 6 เดือน | 100.0 | 100.0 | 52.01 | 10.50 | 5.83 |
| 8 เดือน | 100.0 | 100.0 | 56.75 | 10.38 | 5.23 |
| 12 เดือน | 100.0 | 100.0 | 50.72 | 8.88 | 4.47 |
| F-test | ns | ns | ns | ns | ns |

ns= ไม่แตกต่างทางสถิติ

ตารางที่ 5 ผลของการให้สารโพแทสเซียมคลอไรด์ อายุต้นกล้าต่างๆกันบนต้นลำไยต้นใหญ่พันธุ์อีคอป

| อายุยอดต้นกล้า | การออกดอก(%) |
|----------------|--------------|
| 6 เดือน | 0 |
| 8 เดือน | 0 |
| 12 เดือน | 0 |
| F-test | - |

ns= ไม่แตกต่างทางสถิติ

3.2 ศึกษาการผ่านระยะเขาวัววัยของต้นกล้าลำไย

การเสียบติด การผลิใบและการออกดอก

การเปลี่ยนยอดลำไยทั้งสองกรรมวิธีพบว่า มีการเสียบติด การผลิใบอ่อน ไม่แตกต่างกันทางสถิติ ส่วนขนาดยอดใหม่ ทั้งความยาวยอด และเส้นผ่าศูนย์กลางยอดใหม่ไม่แตกต่างกันเช่นเดียวกัน (ตารางที่ 3)

การออกดอกของต้นที่เปลี่ยนยอดในธรรมชาติ(ปี 2557) พบว่ายังไม่ออกดอกทั้ง ต้นลำไยที่เปลี่ยนยอดอายุ 1 ปีและเปลี่ยนยอดลำไยต้นอายุ 5 ปี ส่วนการชักนำการออกดอกด้วยสารโทแทสเซียมคลอไรด์กำลังดำเนินการคาดว่าจะรายงานในรายงานครั้งต่อไป (ตารางที่ 6)

ตารางที่ 6 ผลของการเปลี่ยนยอดระยะเขาวัววัย และยอดที่ผ่านระยะเขาวัววัย ต่อการเสียบติด การผลิใบ และขนาดยอดใหม่

| กรรมวิธี | การเสียบติด(%) | การผลิใบ (%) | ขนาดยอดใหม่(ซม.) | |
|--|----------------|--------------|------------------|---------------------|
| | | | ความยาวยอด | เส้นผ่าศูนย์กลางยอด |
| เปลี่ยนยอดลำไยระยะเขาวัววัย(อายุ 1 ปี) | 100.0 | 100.0 | 3.1 | 2.23 |
| เปลี่ยนยอดลำไยผ่านระยะเขาวัววัย (ยอดลำไยต้นอายุ 5 ปี) | 100.0 | 100.0 | 4.5 | 4.12 |
| F-test | ns | ns | ns | ns |

ns= ไม่แตกต่างทางสถิติ

ตารางที่ 7 ผลของการเปลี่ยนขocerชะเขาวัววัย และยอดที่ให้ผลผลิตแล้ว ต่อการออกดอก

| กรรมวิธี | การออกดอก(%) | |
|--|-----------------------|--------------------------------|
| | ตามธรรมชาติ (2557) | ให้สาร $KClO_3$ 19 เม.ย. 57 |
| เปลี่ยนยอดลำไยชะเขาวัววัย(อายุ1ปี) | - | |
| เปลี่ยนยอดลำไยผ่านชะเขาวัววัย(ยอดลำไยต้น อายุ 5 ปี) | - | กำลังเก็บข้อมูล |
| F-test | - | |



ภาพที่ 28 การต่อกิ่งยอดลำไยชะเขาวัววัยและ ยอดที่ผ่านชะเขาวัววัยแล้ว

การทดลองที่ 3.3 การศึกษาการชักนำการออกดอกด้วยสาร โฟแทสเซียมคลอเรตกับต้นกล้าลำไย
อายุต่างๆ

จากผลการศึกษาการให้สาร โฟแทสเซียมคลอเรตอัตรา 1 กรัมต่อต้น กับต้นกล้าลำไย
อายุ 12 ,18,24,30 เดือนพบว่าลำไยทุกอายุต้นยังไม่มีออกดอก แต่เมื่อต้นลำไยเข้าสู่ฤดูหนาว

(กุมภาพันธ์ปี 2557) ลำไยจะมีอายุครบ 36 เดือนกลับพบลำไยมีการออกดอกตามธรรมชาติ แต่เป็นการออกดอกเพียง 1 ต้นเท่านั้นและเป็นต้นที่มีการเจริญเติบโตมากกว่าต้นอื่น ๆ (ภาพที่ 26)

ตารางที่ 5 การออกดอกของลำไยต้นกล้าอายุต่างๆที่ชักนำการออกดอกด้วยสาร โฟลทอสเซียม
คลอเรต

| กรรมวิธี | การออกดอก(%) |
|---|----------------|
| กรรมวิธีที่ 1 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 12 เดือนหลังเพาะเมล็ด | 0 |
| กรรมวิธีที่ 2 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 18 เดือนหลังเพาะเมล็ด | 0 |
| กรรมวิธีที่ 3 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 24 เดือนหลังเพาะเมล็ด | 0 |
| กรรมวิธีที่ 4 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 30 เดือนหลังเพาะเมล็ด | 0 |
| กรรมวิธีที่ 5 ระยะเวลาในการชักนำให้ออกดอก 36 เดือนหลังเพาะเมล็ด | กำลังดำเนินการ |
| F-test | - |



ภาพที่ 29 การออกดอกของต้นลำไยที่เพาะเมล็ด อายุต้นประมาณ 3 ปี

การทดลองที่ 3.4 การศึกษาการให้สารพาโคบิวทราโซลร่วมกับสารโพแทสเซียมคลอไรด์กับต้นกล้าลำไยที่มีผลต่อการออกดอก

จากการศึกษาการให้สารโพแทสเซียมคลอไรด์ร่วมกับสารพาโคบิวทราโซลกับต้นกลาลำไยอายุ 2 ปี พบว่า ไม่สามารถชักนำให้ต้นกลาลำไยออกดอกได้ทั้งสองกรรมวิธี (ตารางที่ 9)

ตารางที่ 9 ผลของการให้สารพาโคบิวทราโซลร่วมกับสารโพแทสเซียมคลอไรด์ กับต้นกลาลำไยที่มีผลต่อการออกดอก

| กรรมวิธี | การออกดอก(%) |
|--|--------------|
| กรรมวิธีที่ 1 ให้สารโพแทสเซียมคลอไรด์อัตรา 1 กรัมต่อต้น | 0 |
| กรรมวิธีที่ 2 ให้สารพาโคบิวทราโซลอัตรา 0.5 กรัมต่อต้น 15 วันร่วมกับ $KClO_3$ 1 กรัมต่อต้น | 0 |
| F-test | - |

การทดลองที่ 3.5 ศึกษาการแตกกิ่งของต้นกลาลำไย

จากการศึกษาการตัดปลายยอดลำไยเพื่อกระตุ้นการแตกกิ่งแขนง พบว่าลำไยมีความกว้างทรงพุ่มและความสูงของต้น ไม่แตกต่างทางสถิติในระยะก่อนตัดยอดและระยะผลิใบชุดที่ ในขณะที่จำนวนยอด/กิ่งต่อต้นก่อนศึกษามีเพียงกรรมวิธีละ 1 ยอดเท่านั้น

ส่วนหลังตัดปลายยอดพบว่า การตัดปลายยอดลึกลงมา 15 เซนติเมตร มีจำนวนกิ่งแขนงเกิดขึ้น เฉลี่ยถึง 5 ยอดต่อต้น ส่วนกรรมวิธีเด็ดเฉพาะปลายยอดให้จำนวนกิ่งแขนง 2.6 ยอดต่อต้น ต้นที่ไม่ตัดยอดเป็นการผลิใบอ่อนเพียง 1 ยอดเท่านั้น (ตารางที่ 11)

ตารางที่ 10 ผลของการตัดปลายยอดต่อความสูงความกว้างทรงพุ่ม ในระยะก่อนตัดยอด และระยะใบแก่ชุดที่ 1 ของต้นกล้วย

| กรรมวิธี | ความสูงต้น(ซม.) | | ความกว้างทรงพุ่ม(ซม.) | |
|---------------------------------|-----------------|-------------------|-----------------------|-------------------|
| | ก่อนตัดยอด | ระยะผลิใบชุดที่ 1 | ก่อนตัดยอด | ระยะผลิใบชุดที่ 1 |
| ไม่ตัดยอด | 77.6 | 81.1 | 36.0 | 40.5 |
| เด็ดเฉพาะปลายยอด | 77.2 | 82.23 | 35.2 | 39.4 |
| ตัดปลายยอดลงมา ประมาณ 15 ซม. | 75.4 | 77.6 | 34.6 | 37.4 |
| F-test | ns | ns | ns | ns |

ns= ไม่แตกต่างทางสถิติ

ตารางที่ 11 ผลของการตัดปลายยอดต่อจำนวนใบประกอบ จำนวนยอดต่อต้น และเส้นผ่าศูนย์กลางลำต้น ในระยะก่อนตัดยอด ของต้นกล้วย

| กรรมวิธี | ก่อนตัด | | หลังตัด | | | |
|-----------------------------|----------------------|------------------------------------|----------------------|------------------------------------|-------------------------|----------------------------------|
| | จำนวนกิ่ง ยอด/ต้น | เส้นผ่าศูนย์กลาง ลำต้น (มม.) | จำนวนกิ่ง ยอด/ต้น | เส้นผ่าศูนย์กลาง ลำต้น (มม.) | ความ ยาวยอด (ซม.) | เส้นผ่า ศูนย์กลาง ยอด(มม.) |
| ไม่ตัดยอด | 1.0 | 9.1 | 1.0c | 9.9 | 2.25b | 2.13 |
| เด็ดเฉพาะปลายยอด | 1.0 | 8.1 | 2.6b | 9.5 | 4.16a | 3.44 |
| ตัดปลายยอดลงมาประมาณ 15 ซม. | 1.0 | 7.9 | 5.2a | 8.7 | 5.46a | 3.21 |
| F-test | ns | ns | * | ns | * | ns |



ภาพที่ 30 การตัดปลายยอดของต้นลำไย(ซ้าย)และหลังตัดประมาณ 1 เดือนลำไยแตกกิ่งด้านข้าง (ขวา)

การทดลองที่ 3.6 การศึกษาการนำยอดลูกผสมอายุ 1 ปี ต่อกิ่งบนต้นใหญ่ที่ให้ผลผลิตแล้ว

งานทดลองนี้ไม่ได้มีการวางแผนเป็นแผนการทดลองชัดเจน เนื่องจากจำนวนยอดของลำไยที่เป็นลูกผสม ขณะที่นำยอดมาเสียบอายุต้นกล้าประมาณ 1 ปี หลังจากนั้นได้ทำการตัดยอดต้นกล้าจำนวน 9 กลุ่มผสม แต่เสียบติดเพียง 4 กลุ่มผสม 6 ยอด ได้แก่

- | | |
|---|-------|
| 1. สีส้มพู-7 x ดอกก้านแข็ง-8 F1-4 | 1 ยอด |
| 2. เป็ยวเขียวเขียวใหม่-6 x ดอกก้านแข็ง-7 F1-3 | 2 ยอด |
| 3. คอ 27-1 x ชมพู -12 F1-3 | 1 ยอด |
| 4. ดอกก้านแข็ง-6xชมพู-8 F1-1 | 2 ยอด |

ขณะนี้ทำการเสียบยอดให้เจริญเติบโตและผลิใบประมาณ 2 ชุดจะทดลองชักนำการออกดอกด้วยสารโพแทสเซียมคลอไรด์ อัตรา 0.5 กรัมต่อต้น หากได้ผลประการใดจะรายงานในรายงานฉบับสมบูรณ์ต่อไป

วิจารณ์และสรุปผลการวิจัย

กิจกรรมที่ 1 การสร้างแปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยและการศึกษาลักษณะประจำพันธุ์

แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยเมื่อเริ่มต้นมี 1 แปลงมีพันธุ์รวบรวมไว้ 20 สายพันธุ์ เมื่อได้ดำเนินการตามโครงการวิจัย ได้พัฒนาแหล่งรวบรวมพันธุ์ในมหาวิทยาลัย จำนวน 5 แปลง มีพันธุ์ลำไยรวบรวมไว้จำนวน 32 สายพันธุ์ และมีเครือข่ายรวบรวมพันธุ์ภายนอกมหาวิทยาลัย จำนวนอย่างน้อย 3 แหล่ง ทำให้สามารถอนุรักษ์แหล่งพันธุ์ลำไยของประเทศไว้ได้ส่วนหนึ่ง จากข้อมูลลักษณะประจำพันธุ์ที่ได้ สามารถกำหนดและวางรูปแบบหนังสือพันธุ์ลำไย ที่จะพิมพ์ในอนาคตได้ไม่ยากนัก

การศึกษาเพื่อทดสอบความแตกต่างของสายพันธุ์ที่แต่เดิม ได้ทำการศึกษาในระดับดีเอ็นเอ โดยใช้เทคนิค RAPD และนำข้อมูลที่ได้นำมาทำ phylogenetic tree (รายงานผลการศึกษาวิจัยปี 2555) เพื่อดูความเหมือนหรือใกล้ชิดของสายพันธุ์ แต่ในอนาคต นักวิจัยวางแผนจะดำเนินการคัดเลือกโดยใช้ sequence คาดว่าจะสามารถรายงานผลได้ในปีที่ 3 ของการดำเนินงานตามแผนวิจัย

แปลงรวบรวมพันธุ์ลำไยดังกล่าว อาจจะยังไม่สมบูรณ์แบบ ในการดำเนินงานต่อไป จำเป็นต้องมีการจัดเก็บข้อมูลอย่างเป็นระบบและแลกเปลี่ยนสายพันธุ์กับแหล่งรวบรวมพันธุ์แหล่งอื่นๆ ต่อไปเพื่อความยั่งยืนในการรักษาเชื้อพันธุ์ลำไยต่อไป

กิจกรรมที่ 2 การผสมพันธุ์ลำไยเพื่อสร้างลูกผสมและการตรวจสอบลูกผสมที่ได้

1. กลุ่มผสมของพันธุ์ (กรอบกะทิ x คอก้านแข็ง) พบว่า ไซโรเมอร์ RAPD จำนวน 4 ไซโรเมอร์ ได้แก่ A18, B01, B11 และ B17 สามารถจำแนกความเป็นลูกผสมจำนวน 2 ต้นได้

2. กลุ่มผสมของพันธุ์ (เบี้ยวเขียวเชียงใหม่ x คอก้านแข็ง) พบว่า ไซโรเมอร์ RAPD จำนวน 5 ไซโรเมอร์ ได้แก่ A15, A18 และ A19 สามารถจำแนกความเป็นลูกผสมจำนวน 1 ต้นได้ พบว่า ลูกผสม (เบี้ยวเขียวเชียงใหม่ x คอก้านแข็ง) F_1-3 มีแถบดีเอ็นเอเหมือนพันธุ์พ่อจากทั้ง 3 ไซโรเมอร์

3. กลุ่มผสมของพันธุ์ (คอ 27 x สีชมพู) พบว่า ไซโรเมอร์ RAPD จำนวน 2 ไซโรเมอร์ ได้แก่ N04 และ I 14 สามารถจำแนกความเป็นลูกผสมจำนวน 3 ต้นได้ โดยไซโรเมอร์ N04 ใช้ในการจำแนกลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1-1 และ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-4 พบว่า มีแถบดีเอ็นเอเหมือนลำไยพันธุ์แม่ แต่มีแถบดีเอ็นเอขนาด 400 คู่เบสเพิ่มมาอีกหนึ่งแถบซึ่งไม่เหมือนทั้งพันธุ์แม่และพ่อ ในขณะที่ลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1-3 มีแถบดีเอ็นเอขนาด 400 คู่เบส เช่นเดียวกัน และมีแถบดีเอ็นเอเหมือนพันธุ์พ่อ คือ ขนาด 600 คู่เบส และไซโรเมอร์ I14 พบว่า ลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1-1

และ (คอ 27 x สีชมพู) F_1-4 มีแถบสีเอ็นเอเหมือนลำไยพันธุ์พ่อ ในขณะที่ลูกผสม (คอ 27 x สีชมพู) F_1-3 มีแถบสีเอ็นเอเพียงแถบเดียวเหมือนกับพันธุ์พ่อ

4. กลุ่มสมของพันธุ์ (สีชมพู x คอก้านแข็ง)จากการเพิ่มปริมาณสีเอ็นเอของลำไย ลูกผสมจำนวน 7 ต้น โดยใช้ไพรเมอร์ชนิด RAPD คือ ไพรเมอร์ N08 พบว่า ลูกผสม 1 ต้น มีแถบสีเอ็นเอเหมือนพ่อ คือ (สีชมพู-7 x คอก้านแข็ง-8) F_1-4

5. กลุ่มสมของพันธุ์ (คอก้านแข็ง x สีชมพู) จากการเพิ่มปริมาณสีเอ็นเอของลำไย ลูกผสมจำนวน 4 ต้น พบว่า ลูกผสม 2 ต้น โดยใช้ไพรเมอร์ชนิด RAPD คือ ไพรเมอร์ N08 และ N04 พบว่า (คอก้านแข็ง-6 x สีชมพู-8) F_1-1 มีแถบสีเอ็นเอเหมือนพ่อในไพรเมอร์ N08 และ (คอก้านแข็ง-7 x สีชมพู-12) F_1-5 มีแถบสีเอ็นเอเหมือนพ่อ ในไพรเมอร์ N04

กิจกรรมที่ 3 การศึกษาวิธีการย่นระยะการทดสอบลูกผสม

วิจารณ์ผลการทดลอง

จากการศึกษาการย่นระยะเวลาการออกดอกติดผลของต้นกล้าลำไยหลายๆ กรรมวิธียังไม่มีวิธีการใดที่สามารถชักนำให้ลำไยที่เพาะจากเมล็ดออกดอกได้ภายในระยะเวลาอันรวดเร็ว ซึ่งอาจเกิดจากต้นลำไยเพาะเมล็ดยังอยู่ในระยะเยาว์วัย หรือ juvenile โดยในประเทศจีน มีรายงานการปรับปรุงพันธุ์ลำไยโดยการผสมข้าม พบว่า ต้นกล้าลูกผสมเริ่มออกดอกตามธรรมชาติเมื่อมีอายุต้น 2.5 ปี และ ต้นที่ออกดอกช้าที่สุดมีอายุ 5.5 ปี ขึ้นอยู่กับกลุ่มสมแต่ละคู่จะออกดอกเมื่ออายุต้นเท่าใด (Liu C.J et al., 2010) ในขณะที่ต้นกล้าลำไยที่ศึกษาออกดอกต้นแรกเมื่อมีอายุ 3 ปี โดย อย่างไรก็ตามในประเทศเวียดนามได้ใช้วิธีการเร่งการเจริญเติบโตของต้นกล้าโดยการปลูกต้นที่ได้จากการเพาะด้วยเมล็ดลงดิน แล้วทำการโน้มกิ่ง และตัดแต่งกิ่งบ่อยๆ เพื่อให้ต้นลำไยมีการแตกใบใหม่ซึ่งการแตกใบใหม่นั้นก็หมายความว่าลำไยมีการเจริญทางกิ่งใบมากขึ้น (พาวัน มะโนชัย, ดิดต่อ ส่วนตัว) ได้ สำหรับในประเทศไทยมีศึกษาการปรับปรุงพันธุ์ลำไยที่มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์จำนวน 10 กลุ่มสม ใช้เวลาการออกดอกติดผลประมาณ 5 ปี จึงทำการศึกษาคุณภาพผลลำไย (ฉลองชัยและคณะ, 2533) การศึกษาทุกงานทดลองมุ่งหวังที่ย่นระยะเวลาการออกดอกติดผลของลำไยลูกผสมให้เร็วยิ่งขึ้น แต่ก็ยังไม่มีวิธีใดที่สามารถช่วยย่นระยะเวลาการออกดอกของลำไยได้ อย่างไรก็ตาม จะต้องมีการศึกษาเพิ่มเติมต่อไป

สรุปผลการทดลอง

จากการศึกษาวิธีขึ้นระยะเวลาการออกดอกติดผลของลำไยลูกผสม แม้จะยังไม่สามารถหาวิธีที่ชัดเจนได้ในปัจจุบัน แต่ผลการศึกษาในเมืองค้นพบว่า การตัดยอดต้นกล้าลำไยออก โดยตัดต่ำลงมาประมาณ 15 เซนติเมตร จะช่วยกระตุ้นการแตกตาข้าง และสร้างยอดใหม่ได้มากขึ้น ซึ่งอาจจะเป็นวิธีการหนึ่งที่จะสามารถเร่งระยะเขาวัววัยของต้นลำไยได้ นอกจากนี้ยังพบว่า ต้นกล้าลำไยอายุ 3 ปีที่เพาะจากเมล็ด ที่สมบูรณ์และใหญ่กว่าเพื่อน เมื่อได้รับสภาพอากาศที่หนาวเย็นเพียงพอ (ปลายปี 2556) จะสามารถแทงช่อดอกได้ในขณะที่ต้นอื่นๆ (มีขนาดเล็กกว่า) ไม่สามารถแทงช่อดอกได้ ดังนั้นความอุดมสมบูรณ์ของต้นจึงเป็นปัจจัยหนึ่งที่จะช่วงเร่งระยะเขาวัววัยของต้นลำไย

เอกสารอ้างอิง

- กรมวิชาการเกษตร. 2546. **ฐานข้อมูลเชื้อพันธุพืช: ลำไย**. สำนักงานคุ้มครองพันธุ์พืช. ชุมชุม สหกรณ์การเกษตรแห่งประเทศไทย. 100 หน้า.
- กรมวิชาการเกษตร. 2546. **ฐานข้อมูลเชื้อพันธุพืช: ลำไย**. สำนักงานคุ้มครองพันธุ์พืช. ชุมชุม สหกรณ์การเกษตรแห่งประเทศไทย. 100 หน้า.
- กรมส่งเสริมการเกษตร. 2553. **พื้นที่ปลูกลำไยพันธุ์ต่างๆ**. ระบบข้อมูลเกษตรเพื่อการบริหารและ ประชาสัมพันธ์. สืบค้นออนไลน์. วันที่ 31 สิงหาคม 2553.
- กรมส่งเสริมการเกษตร. 2553. **พื้นที่ปลูกลำไยพันธุ์ต่างๆ**. ระบบข้อมูลเกษตรเพื่อการบริหารและ ประชาสัมพันธ์. สืบค้นออนไลน์. วันที่ 31 สิงหาคม 2553.
- กระทรวงเกษตรและสหกรณ์. 2551. **เอกสารนำเสนอเรื่องรายงานการศึกษาดูงานที่ประเทศจีน 19- 24 กุมภาพันธ์ 2551**.
- จิรนนท์ เสนานาญ ชีรนุช เจริญกิจ สุรัชย์ ศาสริศและพิชัย สมบูรณ์วงศ์. 2555. รายงาน ความก้าวหน้าครั้งที่ 2. โครงการการทดสอบพันธุ์ลำไยรับประทานสดนอกฤดู. เสนอต่อ สำนักงานกองทุนสนับสนุนการวิจัย. 52 หน้า.
- จิรนนท์ เสนานาญ และพาวิณ มะโนชัย. 2553. **เทคนิคการขยายพันธุ์ไม้ผล**. โครงการเครือข่าย สวทช. ภาคเหนือ. วนิศาการพิมพ์. เชียงใหม่. 147 หน้า.
- จิรนนท์ เสนานาญและพาวิณ มะโนชัย. 2553. **เทคโนโลยีการขยายพันธุ์ไม้ผล**. พิมพ์ที่ หจก.วนิศา การพิมพ์ เชียงใหม่. 147 หน้า.
- ฉลองชัย แบบประเสริฐ วัฒนา เติดยรสวัสดิ์ สมเกียรติ จันทร์กระจ่าง ต้น อุดรเคียนต์. 2533. **พันธุ์และการปรับปรุงพันธุ์**. คลังความรู้ดิจิทัล มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. [ระบบ ออนไลน์] (19 เม.ย. 2557).
- ทวีสิน แก้วศรีนวม. 2554. **การปรับปรุงพันธุ์ลำไยโดยการผสมพันธุ์**. วิทยานิพนธ์ปริญญาโท. มหาวิทยาลัยแม่โจ้. 85 น.
- ชีรนุช เจริญกิจ และพาวิณ มะโนชัย. 2553 (ก). **เทคโนโลยีการผลิตลำไยและไม้ผลของออสเตรเลีย**. เทคโนโลยีการเกษตร. 34(2) (กุมภาพันธ์): 69-82.
- นิพัฒน์ สุขวิบูลย์. 2550. **เอกสารวิชาการพันธุ์ลำไย**. ศูนย์วิจัยพืชสวนเชียงราย. กรมวิชาการเกษตร. อินเทอร์เน็ต. เชียงราย. 28 หน้า.

- นิพนธ์ สุขวิบูลย์. 2550. เอกสารวิชาการพันธุ์ลำไย. ศูนย์วิจัยพืชสวนเชิงราช. กรมวิชาการเกษตร. อินเทอร์เน็ต. เชียงราย. 28 หน้า.
- นิรันดร์ ใจจิตร. 2551. ผลของคั้นคอตอถึงพันธุ์ดีของลำไยโดยวิธีเสียบยอด. วิทยานิพนธ์มหาบัณฑิต สาขาเกษตรศาสตร์(สาขาพืชสวน) มหาวิทยาลัยเชียงใหม่. 153 หน้า
- พรรณพิไล กองคิศักดิ์. 2541. ผลของปุ๋ยยูเรียและออสโมไลต์ที่มีต่อการเจริญเติบโตของต้นลำไยฝรั่ง. ปัญหาพิเศษปริญญาตรี. มหาวิทยาลัยแม่โจ้. 21 หน้า.
- วัฒนา เสถียรสวัสดิ์. 2521. การศึกษาวิธีการผสมเกสรของลำไย. กรุงเทพฯ: มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. 84 น.
- สุรินทร์ ปิยะโชคมากุล. 2552. เครื่องหมายดีเอ็นเอจากพื้นฐานสู่การประยุกต์. กรุงเทพฯ:สำนักพิมพ์มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. 269 น.
- Chen, C. L. 2001. A preliminary study on mechanism of somatic embryogenesis in longan (*Dimocarpus longan* Lour.). Fuzhou, Fujian Agr. And For. Univ. 6:20-21.
- Dumampaic, and Somboon Anuntalabhochaia. 2005. DNA Fingerprint Database of Some Economically Important Thai Plants: *Litchi chinensis* Sonn, *Dimocarpus longan* Lour, and *Peuraria* spp. *ScienceAsia* 31: 145-149.
- Faqian Xiong, JingJiang, Zhuqiang Han, Ruichun Zhong, Liangqiong He, Weijian Zhuang, Ronghua Tang. 2011. Molecular Characterization of High Plant Species Using PCR with Primers Designed from Consensus Branch Point Signal Sequences. *Biochemical Genetics*. 49 (5-6) :352-363.
- Furr J.R., W.C. Cooper and P.C. Reece. 1947. An investigation of flower formation in adult juvenile citrus trees. *American Journal of Botany*, Vol.34:No.1 pp1-8.
- Lin, T. X. 1998. Progresses in the studies of molecular bases of longan. D. Fuzhou: Fujian Agr. Univ. 58.
- Lin, T. X., Z. G. Chen and S. L. Dai. 1998. Taxonomic study of *Dimocarpus longan* by random amplified polymorphic DNA technique. *Acta Bot. Sin.* 4012:1159-1165.
- Liu, C.J., M.H. Fan, L.S. Zeng, X. Su, Z.C. Su, J.X. Fu, Y.S. Guo, T.L. Huang, C.M. Liu, S.S. Huang. 2010. A Preliminary Study on Longan Artificial Crossing and Several Traits of the hybrid populations. *Acta Horticulturae* 863:161-168.

- Mitani N., R. Matsumoto., T. Yoshioka and T. Kuniga. 2008. **Citrus hybrid seedling reduce initial time to flower when grafted onto shiikuwasha rootstock.** *Scientia Horticulturae*. Vol. 116 : 4. Pp 452-455.
- Page, R. D. M. 1996. **TREEVIEW: An application to display phylogenetic trees on personal computers.** *Computer Applications in the Biosciences* 12: 357-358.
- Pan, D. M., F. L. Zhong, Z. X. Guo, T. F. Pan, K. T. Li, and J. B. Wang. 2010. **Research on Germplasm Resources and Breeding of Longan (*Dimocarpus longan* Lour.) in the Past Decade in China.** *Acta Hort.* 863: 79-86.
- Rungrach Wangspa, Robert W. Cutlerb, Supranee Sithiproma, Ruttaporn Chundeta, Nadtayam V Hampl, A Pavlicek, and J Flegr. 2001. **Construction and bootstrap analysis of DNA fingerprinting-based phylogenetic trees with the freeware program FreeTree: application to trichomonad parasites.** *Int J Syst Evol Microbiol* 51: 731-735.
- Winston, E. C., P. J. O'Farrelle and K. E. Young. 1993. **Yield and fruit quality of longan (*Dimocarpus Longan* Lour). cultivars on the Atherton Tableland of Tropical North Australia.** *Fruit Varieties Journal.* 47: 153-160.



ภาคผนวก

วิธีการสกัดดีเอ็นเอ

การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอ โดยเทคนิค PCR
และการวิเคราะห์ผล PCR ด้วยวิธีอิเล็กโทรโฟรีซิส

1 วิธีการสกัดดีเอ็นเอ

- 1 นำใบลำไยใส่ในโกร่ง แล้วเติมไนโตรเจนเหลว จากนั้นบดใบลำไยให้ละเอียด
- 2 เติมสารละลาย mCTAB ซึ่งมี 1% (v/v) 2-mercaptoethanol ปริมาตร 500 ไมโครลิตร หรือปรับปริมาตรตามความเหมาะสมของปริมาณใบที่บดได้ แล้วผสมให้เข้ากันโดยใช้เครื่อง vortex
- 3 นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 20 นาที โดยผสมให้เข้ากันทุก 10 และ 20 นาที
- 4 บั่นเหวี่ยงที่อุณหภูมิห้อง ความเร็ว 12,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 5 นาที
- 5 ย้ายส่วนใสใส่ในหลอดใหม่ โดยห้ามเอาตะกอนออกมา จากนั้น เติมเอนไซม์ RNase A ความเข้มข้น 10 ไมโครลิตรต่อมิลลิลิตร ปริมาตร 1 ไมโครลิตร บ่มที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส อย่างน้อยเป็นเวลา 30 นาที
- 6 เติมคลอโรฟอร์ม ปริมาตร 500 ไมโครลิตร หรือ 1 เท่าของปริมาตรสารละลาย mCTAB แล้วทำการ vortex เล็กน้อย
- 7 บั่นเหวี่ยงที่อุณหภูมิห้อง ความเร็ว 12,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 5 นาที แล้วย้ายชั้นน้ำด้านบนใสในหลอดใหม่ (ทำซ้ำในข้อที่ 2.1.6-2.1.7 จนกระทั่งชั้นของโปรตีนเหลือน้อยที่สุด) ซึ่งการทำซ้ำที่ 2 ปริมาตรของคลอโรฟอร์มที่ใช้จะเท่ากับปริมาตรของชั้นน้ำด้านบนที่ย้ายใส่หลอด
- 8 เติม 3 โมลาร์ sodium acetate, pH 5.2 ปริมาตร 1/10 เท่า แล้วเติมเอทานอลบริสุทธิ์เย็น ปริมาตร 2 เท่าของสารละลาย (จะสังเกตเห็นตะกอนสีขาวขุ่น) แล้วผสมให้เข้ากัน
- 9 บั่นเหวี่ยงที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส ความเร็ว 12,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 5 นาที
- 10 เทเอทานอลทิ้ง แล้วเติมเอทานอลเย็น ความเข้มข้น 75 เปอร์เซ็นต์ เพื่อล้างตะกอน (ล้างตะกอน จำนวน 2 ครั้ง)
- 11 บั่นเหวี่ยงที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส ความเร็ว 12,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 2 นาที
- 12 ตากตะกอนดีเอ็นเอให้แห้ง แล้วละลายดีเอ็นเอกลับด้วย 10 มิลลิโมลาร์ Tris-HCl, pH 8.0 ปริมาตร 30 ไมโครลิตร (ถ้ายังมีความหนืดของสารละลายมาก ให้เติม 10 มิลลิโมลาร์ Tris-HCl เพิ่ม)

2 การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอด้วยเทคนิค PCR

โดยใช้ไพรเมอร์ชนิด RAPD และ SCAR ซึ่งในการเพิ่มปริมาณแต่ละครั้งจะต้องนำดีเอ็นเอของพ่อแม่มาเปรียบเทียบกับ มีวิธีการดังต่อไปนี้

- นำตัวอย่างดีเอ็นเอที่สกัดได้มาทำการเพิ่มปริมาณด้วยเทคนิค PCR โดยใช้ไพรเมอร์ RAPD และ SCAR แล้วนำไปทำการทดลองดังนี้

การเตรียมปฏิกิริยา PCR

| | |
|---|--------------|
| - ดีเอ็นเอ (50 นาโนกรัมต่อไมโครลิตร) | 4 ไมโครลิตร |
| - บัฟเฟอร์สำเร็จรูป GeNei™ Red Dye PCR Master Mix | 10 ไมโครลิตร |
| - ไพรเมอร์ RAPD/ SCAR (5 pmole/μl) | 1 ไมโครลิตร |
| - น้ำกลั่น | 5 ไมโครลิตร |
| รวม | 20 ไมโครลิตร |

จากนั้นนำไปใส่ในเครื่อง PCR โดยใช้เวลาและอุณหภูมิ ดังนี้

| | |
|-----------|--|
| ขั้นที่ 1 | 94 องศาเซลเซียส 4 นาที |
| ขั้นที่ 2 | 94 องศาเซลเซียส 1 นาที (สำหรับ denature) |
| | 37 องศาเซลเซียส 1 นาที (สำหรับ annealing) |
| | 72 องศาเซลเซียส 1.5 นาที (สำหรับ primer extension) |
| | ทำซ้ำ 44 รอบ |
| ขั้นที่ 3 | 72 องศาเซลเซียส 5 นาที |

3 การวิเคราะห์ผล PCR ด้วยวิธีอิเล็กโตรโฟรีซิส

หลังจากได้ผล PCR แล้วจึงนำผลที่ได้ไปตรวจสอบโดยใช้วิธีอิเล็กโตรโฟรีซิส มีขั้นตอนดังนี้

- เตรียมถาดและหวีสำหรับเทเจลในแนวราบให้เรียบร้อย
- ชั่งผงอะกาโรส 1.5 กรัม เติมนัฟเฟอร์ 1X TBE ปริมาตร 100 มิลลิลิตร
- หลอมอะกาโรสโดยใช้ไมโครเวฟ เขย่าเป็นครั้งคราวให้อะกาโรสละลายจนหมด
- ตั้งทิ้งไว้ให้เย็นลงที่อุณหภูมิประมาณ 50-55 องศาเซลเซียส แล้วจึงเติมสีย้อมดี

เอ็นเอ SYBR® Safe DNA gel stain ลงไปเขย่าให้เข้ากับเนื้อเจล จากนั้นเทลงในถาดที่เตรียมไว้ให้ เจลหนาประมาณ 5 มิลลิเมตร เสียบหวีลง เพื่อให้เกิดร่องสำหรับหยอดตัวอย่างดีเอ็นเอ ปล่อยให้ เจลแข็งตัวที่อุณหภูมิห้อง

- เมื่อเจลแข็งตัวแล้วดึงหัวออก นำเจลใส่ลงในเครื่องอิเล็กโตรโฟรีซิส ใส่บัฟเฟอร์ 1X TBE ลงให้ท่วมเจล ประมาณ 2-3 มิลลิเมตร

- ใส่ดีเอ็นเอมาตรฐาน (DNA marker) ลงในช่องแรกของเจล

- ใส่ผลิตภัณฑ์ PCR 20 ไมโครลิตร ลงไปในช่องบนเจลที่เตรียมไว้

- ต่อกระแสไฟฟ้าเข้ากับเครื่องอิเล็กโตรโฟรีซิส แล้วเปิดกระแสไฟฟ้า 100 โวลต์

เวลาประมาณ 30 นาที

- นำเจลส่องดูใต้แสงอัลตราไวโอเล็ต แล้วถ่ายภาพเก็บไว้ เพื่อนำไปวิเคราะห์

